

UNIVERSIDAD JUÁREZ AUTÓNOMA DE TABASCO División Académica de Ciencias Biológicas



"RELACIÓN FILOGENÉTICA DE POBLACIONES DE CAPSICUM SPP. CON DIFERENTE ORIGEN GEOGRÁFICO"

Trabajo recepcional, en la modalidad de:

Tesis de Doctorado

Para obtener el grado en:

Doctorado en Ciencias en Ecología y Manejo de Sistemas Tropicales

Presenta:

Yasmín Araceli Gálvez Muños

Directores:

ns Dr. Guillermo Castañón Nájera Dr. Luis Latournerie Moreno







DIVISIÓN ACADÉMICA DE CIENCIAS BIOLÓGICAS DIRECCIÓN

JUNIO 05 DE 2019

C. YASMÍN ARACELI GÁLVEZ MUÑOZ PAS. DEL DOCTORADO EN CIENCIAS EN ECOLOGÍA Y MANEJO DE SISTEMAS TROPICALES P R E S E N T E

En virtud de haber cumplido con lo establecido en los Arts. 80 al 85 del Cap. III del Reglamento de titulación de esta Universidad, tengo a bien comunicarle que se le autoriza la impresión de su Trabajo Recepcional, en la Modalidad de Tesis de Doctorado en Ciencias en Ecología y Manejo de Sistemas Tropicales titulado: "RELACIÓN FILOGENÉTICA DE POBLACIONES DE CAPSICUM SPP. CON DIFERENTE ORIGEN GEOGRÁFICO", asesorado por el Dr. Guillermo Castañón Nájera, sobre el cual sustentará su Examen de Grado, cuyo jurado está integrado por la Dra. Julia María Lesher Gordillo, Dr. José Luis Martínez Sánchez, Dr. Guillermo Castañón Nájera, Dr. Eusebio Martínez Sánchez, Dr. Luis Latournerie Moreno, Dr. Ulises González de la Cruz y Dr. Nicolás González Cortes.

Por lo cual puede proceder a concluir con los trámites finales para fijar la fecha de examen.

Sin otro particular, me es grato enviarle un cordial saludo.

A T E N T A M E N T E ESTUDIO EN LA DUDA. ACCIÓN EN LA FE

DR. ARTURO GARRIDO MORA DIRECTOR

C.c.p.- Expediente del Alumno. C.c.p.- Archivo







CARTA AUTORIZACIÓN

El que suscribe, autoriza por medio del presente escrito a la Universidad Juárez Autónoma de Tabasco para que utilice tanto física como digitalmente el Trabajo Recepcional en la modalidad de Tesis de doctorado denominado: "RELACIÓN FILOGENÉTICA DE POBLACIONES DE CAPSICUM SPP. CON DIFERENTE ORIGEN GEOGRÁFICO", de la cual soy autor y titular de los Derechos de Autor.

La finalidad del uso por parte de la Universidad Juárez Autónoma de Tabasco el Trabajo Recepcional antes mencionada, será única y exclusivamente para difusión, educación y sin fines de lucro; autorización que se hace de manera enunciativa más no limitativa para subirla a la Red Abierta de Bibliotecas Digitales (RABID) y a cualquier otra red académica con las que la Universidad tenga relación institucional.

Por lo antes manifestado, libero a la Universidad Juárez Autónoma de Tabasco de cualquier reclamación legal que pudiera ejercer respecto al uso y manipulación de la tesis mencionada y para los fines estipulados en éste documento.

Se firma la presente autorización en la ciudad de Villahermosa, Tabasco a los 05 Días del mes de junio de 2019

AUTORIZO

YASMÍN ARAČELI GÁLVAN MUÑOZ

INDICE DE CONTENIDO

Agradecimientos	IV
Dedicatoria	٧
Lista de cuadros	VI
Capítulo 1. Introducción	1
Capítulo 2. Antecedentes	3
2.1 Características Botánicas de Capsicum	3
2.1.1 Tipo de planta	3
2.1.2 Características de la flor	4
2.1.3 Características del fruto	4
2.1.4 Características de la hoja	7
2.1.5 Capsaicina	7
2.2 Clasificación Taxonómica	7
Capítulo 3. Justificación	9
Capítulo 4. Objetivo	12
4.1 Objetivó General	12
4.2 Objetivos Específicos	12
4.2.1 Hipótesis	12
Capítulo 5. Referencias	13
Capítulo 6. Artículos	20
6.1 Morphological diversity of wild and semi-wild chili populations of Tabasco and the north of Chiapas States, México Resumen	20 20

		III
	Introduction Materials and Methods Results Discussion Conclusions Acknowledgements References	21 21 23 25 26 26 26
6.2	Comparación morfológica y molecular de poblaciones de chile (Capsicum spp) de Tabasco y Chiapas Resumen Abstrac Introducción Materiales y Métodos Material vegetal Extracción de ADN y amplificación de Microsatelites Análisis Estadístico Caracterización Morfológica Caracterización Molecular Resultados y Discusión Caracterización Morfológica Caracterización Genética Conclusiones Referencias Lista de tablas	28 29 30 32 32 33 34 34 34 36 40 40 45

AGRADECIMIENTOS

Agradezco infinitamente al Consejo Nacional de Ciencia y Tecnología, por la beca otorgada durante la estancia Doctoral en la División Académica de Ciencias Biológicas perteneciente de la Universidad Juárez Autónoma de Tabasco (UJAT).

Agradezco de manera muy especial al Dr. Guillermo Castañón Nájera por la dirección y el financiamiento de este proyecto de tesis, que sin su participación esto no hubiera sido posible, expresando con gran sinceridad y respeto mi cariño porque usted Doctor es una gran persona y director de tesis.

Agradezco a mi Co-director de tesis el Doctor Luis Latournerie Moreno, por su participación en este trabajo de investigación.

Agradezco de manera muy especial a la Doctora Julia Lesher Gordillo por haberme permitido realizar el proyecto de investigación en el laboratorio de Genómica Molecular

Agradezco la participación del Doctor Eusebio Moreno Martínez por formar parte del comité tutorial.

Agradezco la participación del Doctor José Luis Martínez Sánchez Martínez por formar parte del comité tutorial..

Agradezco a la Doctora Ena Edith Mata Zaya por todo su apoyo durante el proceso de trámites para el examen de grado.

Agradezco al Doctor Nicolás González Cortés por ser parte del comité sinodal y todo el apoyo brindado para la revisión de la tesis.

Agradezco al Doctor Ulises González de la Cruz por formar parte del comité sinodal y todo el apoyo el brindado para la revisión de la tesis.

Agradeciendo a todos mis amigos y aquellas personas que de manera directa e indirecta me apoyaron y se convirtieron en mis amigos agradeciendo su amistad y cariño, gracias.

DEDICATORIA

Dedico este trabajo a jehová dios por haberme permitido culminar esta etapa de mi vida.

A mi padre el señor **Derli Efraín Gálvez Roblero** que aunque físicamente no estas a mi lado vives en mis pensamientos, nunca terminare de agradecer todo lo que me diste y enseñaste.

A mi madre la Señora **Gloria Nelva Muñoz Pérez** gracias por todos tus consejos toda tu confianza, por guiarnos siempre, **Te amo mamita**.

A mis hermanos que han sido un pilar desde que falto mi padre les agradezco su apoyo, comprensión y su cariño en todo momento gracias

Marco Antonio Gálvez Muñoz

Derli Josue Gálvez Muñoz

Gabriela Elisa Gálvez Muñoz Antulio Alejandro Gálvez Muñoz

De manera muy especial a mi esposo **Santiago Ramírez Vera** gracias por tu amor y tu apoyo incondicional, gracias por ser parte de mi vida **Te amo**.

LISTA DE CUADROS

		VI
3	TA DE QUADROS	
LIS	TA DE CUADROS	
Cuadra 4 Probinción monfológic	on de la flav de las consciences	lomosticados dal
Cuadro 1. Descripción morfológio género <i>Capsicum</i> spp.	ra de la llor de las especies d	omesticadas dei 5
Cuadro 2. Clasificación taxonómica	a de <i>Capsicum</i> spp.	8
Cuadro 3. Clasificación Taxonómio	ca del género Capsicum.	10
	4	
	O ₁	
C	4 4	
	60	
	0 2	
	(V	3
		S

CAPÍTULO 1. INTRODUCCIÓN

A México se le considera el centro de origen, domesticación y diversificación de *Capsicum annuum* L., ello se sustenta por los vestigios de semillas y frutos carbonizados que se encontraron en la cueva de Ocampo, Tamaulipas (7000-5000 a.C.), en Coaxtlán en el Valle de Tehuacán (6000-4000 a.C.), y, en Silvia y Guila Naquitz en Oaxaca (600-1521 d.C.). Según MacNeish (1964); Pickersgill (2007). Que coincidiendo con lo reportado recientemente por Aguilar-Meléndez *et al.* (2009); y Castellón-Martínez *et al.* (2014),

Capsicum pertenece a la familia de las Solanáceas, pero no hay acuerdo en el número de especies que forman a este importante género, Nuez et al. (1996), algunos investigadores mencionan que son alrededor de 35 especies que pertenecen a Capsicum Carrizo et al. (2013) mientras que Loaiza-Figueroa et al. (1989), señalan 27 especies; sin embargo Walsh y Hoot (2001). Indican que son entre 20 y 27 especies, y de ellas C. annuum, C. Chinense, C. pubescens, C. frutescens baccatum R. & P. son las especies domesticadas (Hernández-Verdugo et al., 1999; Wang y Bosland, 2006). Pozo et al. (1991), señalan que las variedades de chile de cada especie, se identifican por el tamaño, forma, color y grado de picor del fruto, y los frutos pequeños por lo general son los más picantes, mientras que los frutos grandes son dulces. Según Aguirre-Mancilla et al. (2017), el chile es importante desde el punto de vista agronómico, nutrimental y económico. México es considerado un país con gran riqueza y diversidad vegetal, y uno de los principales centros de domesticación de cultivos agrícolas que son parte de la alimentación del hombre (Hernández-Verdugo, 2014). El chile ha sido parte de la alimentación de la población Mesoamericana, lo anterior por que las culturas de esta área geográfica, principalmente la de México participaron en la domesticación, y selección basado en sus requerimientos y necesidades, las características de esta planta son forma, color, aroma, sabor y tamaño del fruto, contribuyendo con ello cultura y gastronomía mundial (CONABIO, 2006).

De acuerdo a la importancia que presenta el cultivo de chile tanto en México como a nivel mundial, es necesario realizar estudios sobre distribucion geografica, diversidad genética y conservación (Martínez-Sánchez et al., 2010). Es necesario se realicen os de importancia estudios conjuntos de caracterización morfológica y molecular para detectar caracteres de importancia agricola biotecnologica e industrial.

CAPITULO 2. ANTECEDENTES

El género *Capsicum* se originó en América, mucho antes de la llegada de los primeros pobladores a estas tierras (Walsh y Hoot, 2001). La familia de las solanáceas está formada por 84 géneros, entre ellos se encuentra el tomate, solanum lycopersicum L., la papa, *Solanum tuberosum* L., el tabaco, *Nicotiana tabacum* L, la berenjena, *Solanum melongena* L., el lulo, *Solanum quitoense* Lam., uvilla *Physalis peruviana* L. y otras plantas medicinales. Hoy día el origen de *Capsicum* es incierto. Sin embargo, Bosland y Votava (2012), señalan que su centro de origen es la región árida de los Andes, de dónde se dispersó a las zonas tropicales y las tierras bajas de América.

Investigaciones previas citan se ha encontrado que el género *Capsicum* es una fuente rica en antioxidantes *C* y E, así como de provitaminas, éstas se pueden encontrar en altas concentraciones y son una fuente de carotenoides y xantofilas con alto contenido de vitamina P (Citrina), B (Tiamina), Riboflavina y B3 (Niacina),. Los pimientos (chiles) verdes presentan elevados contenidos de polifenoles y los de color rojo tienen altas concentraciones de vitaminas (Bosland y Votava, 2012; Quipo-Muñoz, 2013).

2.1 Características Botánicas de Capsicum

El chile pertenece al género *Capsicum* spp, y junto con *Solanum*, *Lycopersicon* spp, *Cyphomandra*, *Physalis*, spp entre otros, que forman la familia de las Solanáceas (Yánez *et al.*, 2015).

2.1.1 Tipo de planta

El chile es una planta monoica, semi-arbustiva perenne, que puede alcanzar entre 0.25 cm a 85 m de altura, el tamaño varía de acuerdo a la variedad y el ambiente en que crece y se desarrolla IPGRI-AVRDC-CATIE, (1995). Se le considera una planta

autógama, aunque puede presentar alto porcentaje de alogamía, la que se da principalmente por el viento, insectos polinizadores (Raw, 2000)

2.1.2 Características de la flor

El color de la flor en *Capsicum* varía según la especie (**Cuadro 1**), pero se distinguen dos tipos de flores: blancas y púrpuras. En el grupo de flores blancas se encuentran las especies C. *baccatum*, *C. annuum*, *C. chinense* y *C. frutescens*. Mientras que la especie *C. pubescens* se caracteriza por presentar flores de color purpura (Pickersgill, 1980).

2.1.3 Características del fruto

Las especies silvestres de *Capsicum annuum* muestran frutos pequeños, de color verde, pungentes, su forma puede ser cónica, esférica u oblonga, presentan un crecimiento erecto o deciduo. Las semillas son diseminadas por las aves que son atraídas por el color brillante de los frutos, en cambio las especies cultivadas presentan menor número de frutos por planta, mayor tamaño del fruto, diversidad de colores que puede ser amarillo, naranja, violeta, marrón y verde (García, 2006; Nuez *et al.* 1996), señalan que las especies cultivadas pueden presentar formas redondas, acorazonadas, largas cilíndricas, cónicas, y rectangulares. En los frutos de las especies cultivadas se observa el pericarpio y las semillas están adheridas a la placenta y son ricas en aceite, como es el caso del extracto de *Capsicum* que contiene Capsaicina y es utilizada para disminuir cansancio y es utilizado como analgésico algunas variedades presentan de 2 a 4 lóbulos bien diferenciados los frutos inmaduros pueden ser blancos verdes o cafés.

Cuadro 1. Descripción morfológica de la flor de las especies domesticadas del género Capsicum spp.

Características	C.annuum	C. frutescens	C.chinense	C. baccatum	C. pubescens
Flores	Solitarias	Solitarias	Dos o más por nudo	Solitarias	Solitarias e inclinadas
Pedicelo	Declinado Erecto	Erecto		Erecto o declinado	Erecto
Corola	Blanca ocasionalmente púrpura	O ₂	Verdosa-blanca ocasionalmente blanca o morada	Blanca o Verdosa-blanca	Morada
Manchas	Sin manchas	Sin manchas	Sin manchas	Con manchas	Sin manchas
Cáliz		Sin constricción anular	Con constricción anular		No tiene constricción anular
Venas			No están prolongadas en dientes	_	Prolongadas en dientes
Pulpa	Blanda	Blanda	Firme	Firme	Firme
Semillas	Amarillas	Amarillas	Amarillas	Amarillas	Oscuras

Número.	2n=24 un par de	2n=24 un par de	2n=24 un par de	2n=24 un par de	2n=24 un par de
	cromosomas	cromosomas	cromosomas	cromosomas	cromosomas
	acrocéntricos	acrocéntricos	acrocéntricos	acrocéntricos	acrocéntricos
Fuente: IBPGR	acrocéntricos (1983); Muñoz (2002).	acrocentricos	acrocéntricos	acrocéntricos	

2.1.4 Características de la hoja

El color de las hojas es verde, sin embargo pueden presentar tonalidades como verde claro, verde oscuro, morado, jaspeado u otro; el margen de lámina foliar puede ser entera, ondulada o ciliada (IPGRI-AVRDC-CATIE, 1995).

2.1.5 Capsaicina

La capsaicina es sintetizada por las planta de chile y ésta actúa como un medio de defensa en el ambiente en que se encuentra creciendo. El grado de picor es detectado por los humanos por la sensación de ardor o dolor al tener contacto con la capsaicina, este permite la entrada de iones de calcio a las células, es captado por el cerebro como un mensaje, y el mensaje se interpreta como una sensación de quemazón (Cedrón, 2013). Los capsaicinoides en los frutos de chile se encuentran en la placenta y semillas (Stewart *et al.* 2007).

En las especies de *Capsicum* se encuentra el alcaloide capsaicina o capsicina, 8-metil-N-vanillil-6-nonenamida, ésta es una sustancia fenol etérica, la que se percibe en soluciones de 1:100000 y un grupo de amidas de ácidos aromáticos procedentes de la fenilalanina, en el cual se presenta la leucina y la valina (Blum *et al.*, 2002; Brack, 2003). El grado de pungencia de las especies de chile se determina en unidades Scoville (Cedrón, 2013).

2.2 Clasificación Taxonómica

La familia de las solanáceas está formada por 84 géneros, entre ellos además de Capcisum; se encuentran el tomate, *Solanum lycopersicum* la papa, *Solanum tuberosum*, el tabaco *Nicotiana tabacum*, la berenjena *Solanum melongena* y plantas medicinales (Jaramillo y Lobo, 1982). Este género agrupa entre 27 y 30 especies. Pero otros autores reportan 20 y 23 especies (Eshbaugh, 1983).

An de Antonse

Por lo anterior la taxonomía de Capsicum spp es muy controvertida. Capsicum como género fue establecido en 1700 (Cuadro 2) por Tournefort (Bravo, 1934); y en 1737 Linnaeus clasificó a C. annuum y C. frutescens, y en 1767 se introdujeron las especies C. baccatum y C. grossum). Los criterios para clasificar a las especies fueron el tamaño, forma y color del fruto (Smith y Heiser, 1951).

La clasificación botánica del género Capsicum. El Cuadro 3, muestra la distribución geográfica y especies que se encuentran clasificadas en el género Capsicum.

ia Control of the con Cuadro 2. Clasificación taxonómica de Capsicum Spp

Reino: Plantae

División: Magnoliophyta Clase: Magnoliopsida Orden: Solanales

Subfamilia: Solanoideae

Familia: Solanaceae

Tribu: Solaneae

Subtribu: Capsicinae **Género**: Capsicum

Bosland y Votava, 2012

CAPÍTULO 3. JUSTIFICACIÓN

Es importante mencionar que México es centro de origen y diversidad del género *Capsicum*, cuenta con una gran gama de variabilidad genética las especie *C. annuum*, mientras las especies *C. frutescens, C.pubescens y C. chinense;* se puede hallar en menor grado (Latournerie *et al.*, 2002).

Entre las hortalizas el chile es la más cultivada en todo el mundo, se utiliza como especia, como ingrediente en la preparación de alimentos y en la industria farmacéutica y cosmética (Andrews, 1995; Ruiz-Lau *et al.*, 2011). En México existe amplia variabilidad fenotípica dentro de la especie *C. annuum* como colores, olores, formas y aromas, además tiene alta demanda por su valor nutrimental y beneficios económicos (Contreras-Toledo *et al.* 2011).

Conocer la variación morfológica y los patrones de distribución geográfica de Capsicum es de gran interés para poder comprender los patrones evolutivos de las especies vegetales (Ruiz-Lau et al., 2011). Entre los factores abióticos que determinan la distribución de las especies de Capsicum se deben considerar el clima, la latitud y altitud, al clima se le considera el factor principal en la distribución y variación de las especies vegetales, porque puede influir sobre la evolución, fisiología y reproducción, también puede provocar interacciones ecológicas que afectan a los recursos genéticos (Bran et al., 2012).

Cuadro 3. Clasificación Taxonómica del género Capsicum.

Especie	Distribución geográfica	Fuente: Autor (Año)
C. annuum Linnaeus	Del norte de Colombia, hasta el sur de E.U.A	Linnaeus, 1753
C. annuum var. annuum Linnaeus	Argentina, Chile, Bolivia, Brasil, Paraguay, Perú y	Linnaeus, 1753
	Ecuador.	
C. baccatum L Kuntze	Brasil	Kuntze, 1891
C. campylopodium Sendt,	Sur de Brasil	Sendtner, 1846
C. cardenasii Heiser & Smith,	Bolivia	Heiser & Smith, 1958
C. chacoense Hunziker,	Argentina, Bolivia y Paraguay	Hunziker,1950
C. chinense Jacquin,	América del sur y Latina	Jacquin, 1776
C. coccineum (Rusby) Hunziker,	Bolivia y Perú	Hunziker,1954
C. cornutum Hunziker,	Sur de Brasil	(Hiern) Hunziker,1961
C. dimorphum Miers) Kuntze	Colombia	(Miers) Kuntze, 1891
C. dusenii Bitter	Brasil	Bitter,1920
C. eximium Hunziker,	Argentina y Bolivia	Hunziker, 1950
C. frutescens Linnaeus	Sur de EUA y Península de Yucatán (México).	Linnaeus, 1753
C. galapagoense Hunz	Ecuador	Hunziker,1958
C. geminifolium (Dammer) Hunz	Colombia y Ecuador	(Dam) Hunziker , 1954
C. hookerianum (Miers) Kuntze	Ecuador	(Miers) Kuntze,1891
C. lanceolatum (Greenm) Morton &	México, Guatemala	Morton & Standley, 1940
Standley		

C. lectopodum (Dunal) Kuntze	Brasil, Chile, Costa Rica, Alemania, Italia	Kuntze,1891
C mirabile Mart ex Sendt (sinónimo C	Sur de Brasil	Mart, 1846
buforum Hunziker)		
C. parvifolium Sendtn	Colombia, Noreste de Brasil y Venezuela	Sendtn, 1846.
C. praetermissum Heiser & Smith	Sur de Brasil	Heiser & Smith 1958
C. pubescens Ruíz & Pavon	América del sur (Colombia, Perú, Ecuador,	Ruíz & Pavón,1779
	Bolivia, México)	
C. schottianum Sendt	Argentina y sur de Brasil	Sendt, 1846
C. scolnikianum Hunziker	Perú	Hunziker, 1961
C. tovarii Eshbaugh, Smith & Nickrent	Perú	Eshbaugh, Smith &
		Nickrent, 1983
		·

CAPITULO 4. OBJETIVOS

4.1 Objetivo General

Identificar la diversidad genética de poblaciones de *Capsicum* spp con diferente origen geográfico y determinar la relación filogenética entre ellas.

4.1.1 Objetivos Específicos

- a) Caracterizar morfológicamente las poblaciones de *Capsicum* spp colectadas en los estados de Tabasco y Norte de Chiapas, México.
- b) Determinar mediante análisis de huellas genéticas Microsatélites (SSRs), la relación filogenética de variantes de *Capsicum spp* de Tabasco y Norte de Chiapas, México.

4.2. HIPOTESIS

- 1. Existe relación filogenética morfológica del germoplasma *Capsicum* spp colectado en los estados de Tabasco y Norte de Chiapas.
- 2. La técnica molecular de Microsatélites (SSRs) es efectiva para establecer las relaciones filogenéticas de las poblaciones analizadas.

REFERENCIAS

- Aguilar-Meléndez, A., Morrell, P. L., Roose, M. L., & Kim, S. C. (2009). Genetic diversity and structure in semiwild and domesticated chiles (*Capsicum annuum*; Solanaceae), from México. *American Journal of Botany*, *96*(6), 1190-1202.
- Aguirre-Mancilla, C.L., Iturriaga de la Fuente, G., Ramírez-Pimentel, J.G., Covarrubias-Prieto. J., Chablé-Moreno. F., Raya, P. J.C. (2017). EL CHILE (*C. annuum L.*), Cultivo y Producción de Semilla. Ciencia y Tecnol. Agrop. 5 (1): 19-27.
- Andrews, J. (1995). *Peppers: the domesticated Capsicums*; New Edition Foreword by. Hardy Eshbaugh. University of Texas Press. 186. Pp.
- Bitter, G. (1920). Capsicum Lycianthes Abh. Naturwiss. Vereins Bremen. 24: 1-520.
- Blum, E., Liu, K., Mazourek, M., Yoo, EY, Jahn, M. y Paran, I. (2002). Mapeo molecular del locus C para presencia de pungencia en *Capsicum.Genoma*, 45 (4), 702-705.
- Bosland, P.W., Votava, E.J. (2012). *Pimientos: vegetales y especias pimientos* (Vol. 22). Cabi.
- Brack, E. (2003). Perú: 10 mil años de domesticación. Lima- Perú: Bruño.160 pp.
- Bran, R. A. A., Castillo, B. Z., Madrigal, R. Q., Esquinca, Á. R., & Díaz, P. P. (2012).
 Caracterización morfológica y molecular de la variabilidad genética del timpinchile (*Capsicum annum L. var. glabriusculum sin. aviculare*) en Chiapas.
 Quehacer Científico en Chiapas. 1 (13), 4-18.
- Bravo, H. (1934). Estudio botánico acerca de las Solanáceas Mexicanas del género *Capsicum*. Instituto de Biología. UNAM 5:303-321.

- Carrizo, G. C., M. Sterpetti, P. Volpi, M. Ummarino and F. Saccardo (2013) Wild *Capsicums*: identification and in situ analysis of Brazilian species. In: Breakthroughs in the Genetics and Breeding of Capsicum and Eggplant. Proceedings of the XV Eucarpia Meeting on Genetics and Breeding of Capsicum and Eggplant, Torino, Italy. 2-4 September 2013. S. Lanteri and G. L. Rotino (eds.). I Love Books. Delmar, New York. pp: 205-213.
- Castellón-Martínez, E., Carrillo-Rodríguez, J. C., Chávez-Servia, J. L., & Vera-Guzmán, A. M. (2014). Variación fenotípica de morfotipos de chile (*Capsicum annuum* L.) nativo de Oaxaca, México. *Phyton (Buenos Aires)*,83(2), 225-236.
- Cedrón, J. C. (2013). La capsaicina. Revista de Química, 27(1-2), 7-8.
- CONABIO. (1996). Biodiversitas. El chile. Año 2. Número 8. pp. 8-14 https://www.gob.mx/conabio. Fecha de consulta 20 de enero 2018.
- Contreras-Toledo, A. R., López-Sánchez, H., Santacruz-Varela, A., Valadez-Moctezuma, E., Aguilar-Rincón, V. H., Corona-Torres, T., & Antonio-López, P. (2011). Diversidad Genética en México de variedades nativas de chile poblano mediante microsatélites. *Revista fitotecnia mexicana*, 34 (4), 225-232.
- Eshbaugh, W. H. (1993). Peppers: History and exploitation of a serendipitous new crop discovery. Pp. 132-139 *in* J. Janick and J.E. Simon (eds). New. Crops. John Wiley & Sons, New York.
- Eshbaugh, W.H. (1983). The genus Capsicum (Solanaceae) in Africa. Bothalia 14: 845-848.
- Eshbaugh, W.H., Smith, P.G., & Nickrent, D.L. (1983). *Capsicum tovarii* (*Solanaceae*), a new species of pepper from Peru Brittonia, 35(1), 55-60.

- García, M. A. (2006). Estudio de la diversidad genética de las accesiones de Capsicum spp. Del banco de germoplasma de la Universidad Nacional de Colombia (Doctoral dissertation, Ph. D. Thesis. Sede Palmira, Col. UNC. 102p.
- Heiser, C.B., & Smith, P.G. (1958). New species of *Capsicum* from South America *Brittonia*, 10(4), 194-201.
- Hernández-Verdugo, \$ (2014). Importancia del chile silvestre (*Capsicum annuum*) como recurso genético de México. Eds. Butanda-Ochoa, A. *Mensaje Bioquímico*, 41. 289-304.
- Hernández-Verdugo, S., Aranda-Dávila, P., & Oyama, K. (1999). Síntesis del conocimiento taxonómico, origen y domesticación del género *Capsicum*. Review of taxonomy, origin and domestication of the genus *Capsicum*. Boletín de la Sociedad Botánica de México. 64, 65-84.
- Hunziker, A. T. (1950). Estudios sobre *Solanaceae* I Sinopsis de las especies silvestres de *Capsicum*: de Agrentina y Paraguay *Darwiniana*. 225-247.
- Hunziker, A. T. (1958). A synopsis of the genus CapJiwln International Congress of Botany, Rapports et communications par venus avant la congress 18th *Congress:* 73.74.
- Hunziker, A. T. (1961). Noticia sobre el cultivo de *Capsicum baccatum* L (Solanaceae) en Argentina *Kurtziana 1: 303.*
- Hunziker, A.T. (1954). Synopsis of the genus *Capsicum VIII CongreÁs International* de Botanique, Paris, 73-74.
- IBPGR. (1983). Genetic resources of Capsicum. IBPGR Secretaria, Roma, 13p.

- IPGRI-AVRDC-CATIE. (1995). Descriptores para *Capsicum (Capsicum* spp.). Instituto Internacional de Recursos Fitogenéticos, Roma, Italia; Centro Asiático para el Desarrollo y la Investigación Relativos a los Vegetales, Taipei, Taiwán y Centro Agronómico Tropical de Investigación y Enseñanza. *Turrialba, Costa Rica.* 48p
- Jacquin, N. J. (1776). Hortus Botanicus Vindobonensis Plantarum Rariorum 3: 38.
- Jaramillo, J., y Lobo, M. (1982). Pimentón. In: Manual de Asistencia Técnica de Hortalizas. Ministerio de Agricultura e Instituto Agropecuario. 121-144 p.
- Kuntze, O. (1891). Revision generum plantarum. 2:375-1011.
- Latournerie, L., Chávez, J. L., Pérez, M., Castañón, G., Rodríguez, S. A., Arias, L. M., & Ramírez, P. (2002). Valoración in situ de la diversidad morfológica de chiles (*Capsicum annuum* L. y *Capsicum chinense* Jacq.) en Yaxcabá, Yucatán. *Revista Fitotecnia Mexicana*, 25(1), 25-33.
- Linnaeus, C. (1753). Species Plantarum. Laurentii Salvii, Holmiae, 560 pp.
- Loaiza-Figueroa, F., Ritland, K., Cancino, J. A. L., & Tanksley, S. D. (1989). Patterns of genetic variation of the genus *Capsicum* (Solanaceae) in Mexico. *Plant Systematics and Evolution*, *165*(3). 159-188.
- MacNeish R.S. (1964). Ancient Mesoamerican civilization. Science. 143: 531-537.
- Martínez-Sánchez, D., Pérez-Grajales, M., Rodríguez-Pérez, J. E., Pérez, M., & del Carmen, Oaxaca, México. *Revista Chapingo. Serie horticultura*, *16* (3), 169-176.
- Martius, C.F.P. (1846). Osmundaceae, en C F P von Martius, A W Eichler & I Urban (eds), Flora Brasiliensis, enumeratio plantarum in Brasilia hactenus detectarum: quas suis aliorumque botanicorum studiis descriptas et

- methodo naturali digestas partim icone illustratas Munich & Leipzig: F Fleischer 10: 2-33
- Morton, V.C., & Standley, P.C. (1940). Studies of central plants In: Publications of Field Museum of Natural History *Botanicals series* 22: (4), 272-273.
- Muñoz, M. (2002). Estudio de cruzabilidad entre las especies cultivadas y silvestres de Capsicum annum L. Capsicum chinense Jacq. y C. frutescens L. y propuesta de un protocolo para la observación de cromosomas en especies del género Capsicum. Tesis de maestría, Universidad Nacional de Colombia Sede Palmira. Facultad de Ciencias Agropecuarias, 120 p.
- Nuez, V.F., Ortega, R.G., Costa, J. (1996). El cultivo de pimientos, chiles y ajíes.

 Mundi-Prensa, Madrid. Pp. 607
- Pickersgill, B. (1980). Some aspects of interspecific hybridation in Capsicum. IV Eucarpia meeting, *Capsicum* Working group 1980, Wageningen, 1-5 p.
- Pickersgill, B. (2007). La domesticación de las plantas en las Américas: perspectivas de la genética mendeliana y molecular. *Anales de Botanica*. *100* (5), 925-940.
- Pozo, O., Montes, S., y Redondo, E. (1991). Chile (*Capsicum* spp.). In: avances en el estudio de los Recursos Fitogenéticos de México. Ortega, R.; Palomino, G.; Castillo, F.; González, V. A. y Livera, M. (Eds.). Sociedad Mexicana de Fitogenética, A. C., Chapingo, México. 217-238.
- Quipo-Muñoz, F. E., Ramírez-Muñoz, Á. M., Rojas-Pérez, J. A., & Ordoñez-Santos,
 L. E. (2013). Cambios en la Vitamina C y el Color durante la Cocción del
 Pimentón Verde (Capsicum Annuum L). Tecno Lógicas, (31). 141-150.

- Raw, A. (2000). Foraging Behaviour of Wild Bees at Hot Pepper Flowers (*Capsicum annuum*) and its Possible Influence on Cross Pollination Annals of Botany 85: 487-492.
- Ruiz, H., & Pavón, J. (1799). Flora Peruviana, et Chilensis, sive, Descriptiones eticones plantarum Peruvianarum, et Chilensium, secundum systema Linnaeanum digestae, cum characteribus plurium generum evulgatorum reformatisauctoribus Gabrielis de Sancha, Madrid.
- Ruiz-Lau, N., Medina-Lara, F., & Martínez-Estévez, M. (2011). El chile habanero: su origen y usos. *Revista Ciencias*. 70-77
- Sendtner, O. (1846). Solanaceae et Cestrineae, In C.F.P. Von Martius, Ed Flora Brasiliensis Vol 10 Typographia Regia C Wolf et fil Et in offic Lithograp S Missinger, Munich; apaud Frid Beck, Vienna, apaud Frid Fleischer In comm, Leipzig. Pages. 1-228.
- Smith, P.C. y Heiser, C.B. (1951). Taxonomic and genetic stuclies on the cultivated peppers, *C. annuum L.* and *C. frutescens* L. American Journal of Botany 38:362-368.
- Stewart, J.R.C., Mazourek, M., Stellari, G.M., O'connell, M., y Jahn, M. (2007).

 Control genético de la pungencia en *C. chinense* a través del locus Pun1. *Diario de Botánica Experimental*, *58* (5), 979-991.
- Walsh, B. M., & Hoot, S. B. (2001). Phylogenetic relationships of *Capsicum* (*Solanaceae*) using DNA sequences from two noncoding regions: the chloroplast atpB-rbcL spacer region and nuclear waxy introns. *International Journal of Plant Sciences*, *162*(6), 1409-1418.

Wang, D., y Bosland, P. W. (2006). The genes of Capsicum. HortScience, 41(5),

Yánez, P., Riyadeneira, L., Balseca, D., & Larenas, C. (2015). Características morfológicas y de concentración de capsaicina en cinco especies nativas del género Capsicum cultivadas en Ecuador. La Granja 22(2), 12-32.

The cultivac.

CAPÍTULO 6.1. Morphological diversity of wild and semi-wild chili populations

Tabasco and Tabasc

REVISTA INTERNACIONAL DE BOTÁNICA EXPERIMENTAL INTERNATIONAL JOURNAL OF EXPERIMENTAL BOTANY

FUNDACION ROMULO RAGGIO Gaspar Campos 861, 1638 Vicente López (BA), Argentina www.revistaphyton.fund-romuloraggio.org.ar

Morphological diversity of wild and semi-wild chili populations of Tabasco and the north of Chiapas States, Mexico

Diversidad morfológica de poblaciones silvestres y semi-silvestres de chile de los estados de Tabasco y norte de Chiapas, México

Gálvez Muñoz YA1, E Martínez Moreno2, S Ramírez Vera2, L Latournerie Moreno3, IM Lesher Gordillo¹, G Castañón Nájera^{1*}

Abstract. The research was conducted with the aim to identify the variability in situ of wild and semi-wild morphotypes of Capsicum spp. that were found growing in different places of Tabasco and the north of Chiapas States. Morphotypes included "Amashito" (five types), "Pico de paloma" (two types), "Garbanzo", "Ojo de sapo", "Ojo de cangrejo", "Colmillo de lagarto" and "Corazón de pollo". Such characterization is important because there is an extensive variability of forms cultivated in the country, resulting from a wide range of agroecological diversity as well as diverse forms, colours, flavors and sizes that constitute a valuable collection of genes and a valuable contribution to gastronomy. We measured qualitative traits like leaf colour, leaf shape, calyx margin, stem colour, stem shape, plant growth habit, branching habit, flower position, fruit colour and fruit shape. Quantitative variables such as plant height, stem diameter, number of flowers per axil, fruit lenght, fruit width and number of seeds per fruit were also registered. From the first Principal Component Analysis (PCA), nine variables were selected as the most discriminant. A second PCA was performed with these selected variables and a cluster analysis (CA) was also performed. The three first principal components explained 58.27% of the total variation. The cluster analysis ordered the population of chilies in contrasting groups. These were grouped by species, locality of identification and the superiority of any (or some) traits that were common in every

Keywords: Morphological characterization; Collection; Wild chilies; Plant genetic resources; Diversity.

Resumen. La investigación se realizó con el objetivo de identificar la variabilidad in situ de morfotipos de Capsicum spp. que se encontraban en estado silvestre y semi-silvestre en diferentes lugares de Tabasco y el norte de los estados de Chiapas. Se colectaron morfotipos de "Amashito" (cinco tipos), "Pico paloma" (dos tipos), "Garbanzo", "Ojo de sapo", "Ojo de cangrejo", "Colmillo de lagarto" "Corazón de pollo". La caracterización es importante porque existe una gran variabilidad de formas cultivadas en el país, producto de una amplia gama de diversidad agroecológica, así como de diversas formas, colores, sabores y tamaños que constituyen una valiosa colección de genes y una valiosa contribución a la gastronomía. Se midieron los caracteres cualitativos color de la hoja, forma de la hoja, margen del cáliz, color del tallo, forma del tallo, habito de crecimiento de la planta, habito de ramificación, posición de la flor, color del fruto y forma de fruto. Las variables cuantitativas medidas fueron altura de planta, diámetro de tallo, número de flores por axila, longitud del fruto, ancho de fruto y número de semillas por fruto. Del primer análisis de componentes principales (ACP), se seleccionaron las nueve variables que resultaron significativas, con las cuales se realizó un segundo ACP, y un análisis de conglomerados (AC). Los primeros tres componentes principales del segundo (ACP) explicaron 58.27% de la variación total. El análisis de conglomerados (AC) ordenó las poblaciones de chile en grupos contrastantes; primero, las colectas se agruparon por especie, luego por localidad y finalmente por algunos caracteres que fueron comunes en los grupos.

Palabras clave: Caracterización morfológica; Chiles silvestres; Recursos fitogenéticos; Diversidad.

División Académica de Ciencias Biológicas, Universidad Juárez Autónoma de Tabasco. Carretera Villahermosa-Cárdenas, entronque Bosques de Saloya, kilómetro 0.5, Villahermosa, Tabasco, C.P. 86040, México. tel. 993-3-54-43-08.

División Académica de Ciencias Agropecuarias. Carretera Villahermosa-Teapa. Kilómetro 25, Villahermosa, Tabasco, C.P. 86120, México.

Tecnológico Nacional de México, Instituto Tecnológico de Conkal. Kilómetro 16.3 Antigua Carretera Mérida-Motul, Conkal, Yucatán, México.

^{*}Address correspondence to: Guillermo Castañón Najera, e-mail: guillermo_corazon_valiente@hotmail.com ; Yasmín Araceli Gálvez Muñoz, e-mail: yasmín Received 28.III.2017. Accepted 19.VIII.2017.

Chili landraces characterization 61

INTRODUCTION

Mexico is considered the origin and domestication center of a number of cultivated plants, including species belonging to the genus Capsicum commonly known as chilies (Ortega, 1991; Eshbaugh, 1993). They were later introduced in Spain, and thereafter distributed to the rest of the world (Aguilar et al., 2006). The Mexican population has considered the Capsicum spp. as an important food in their diet. There are more than 100 morphotypes of wild and cultivated chili, which are distributed in the Mexican territory. They are highly consumed and requested in the market of urban and rural communities (Castellón-Martínez et al., 2014). The five domesticated species are Capsicum annuum L., Capsicum frutescens L., Capsicum chinense Jacq., Capsicum pubescens Ruiz & Pavon and Capsicum baccatum L. (Morán et al., 2004; Milla, 2006). In terms of the area sown and the high demand worldwide of these five species, C. annuum is the most important crop. This species presents the largest variation regarding shape, size, color of the fruit, flavor and pungency for the elaboration of diverse typical dishes (e.i., the different types of chili) (Hernández-Verdugo et al., 1998; Martínez-Sánchez et al., 2010). Many has warm, humid climate while 4.5% has warm, sub-humid studies of morphological characterization of these types of chili have been reported (Latournerie et al., 2002; Martinez- nual temperature is 27 °C (Ruíz-Alvarez et al., 2012). Chiapas Sánchez et al., 2010; Salinas et al., 2010; Moreno-Pérez et al.,

2011; Nsabiyera et al., 2013; Occhiuto et al., 2014; Ramírez-Meraz et al., 2015; Toledo-Aguilar et al., 2016). In accordance with Bosland (1996), González & Pita (2001) and Bosland & Votava (2012), C. annuum is the species with the largest morphologic, genetic and plant architecture variability. Because of this, Gunn (2004) established that the annuum species has been the basis to generate the highest number of improved varieties of chili, in comparison to other species of the same genus. As a result, Capsicum is very important in the southeast of Mexico, specifically in the states of Tabasco and the north of Chiapas. The objective of this work was to identify the genotype that establish morphological relationships among wild and semi-wild chili variants collected during exploration trips across different localities from both states.

MATERIALS AND METHODS

The study area was established in the states of Tabasco and north of Chiapas, located between 17° 15' 00" - 18° 38' 45" N and 90° 58' 08" - 94° 07' 00" W and (INEGI 2011). The continental surface area of Tabasco is 24738 km2; 95% of it climate. There are heavy rains in summer, and the average an-State has 73311 km² of continental surface area (Hernández

Table 1. Main features of surface hydrology, soil and land use in the municipalities of Tabasco state and northern Chiapas. Tabla 1. Principales características de hidrología superficial, edáficas y uso de suc allos municipios del estado de Tabasco y norte de Chiapas.

Subregión	Municipality	Average annual precipitation (mm)	Soil type of wetland with respect to Tabasco states and north of Chiapas	Charasteristic of soil and use
Sierra (Vicente Guerrero)	Теара	3711	Lacustrine 0.37% Marsh 5.82% Riparian 0.74% Agriculture 12.25%	Cleysol and histosol inland lagoons; use livestock mainly agricultural and forest to a lesser extent.
Sierra (Ejido Cerro Blanco)	Tacotalpa	4014	Lacustrine 0.37% Marsh 5.82% Riparian 0.74% Agricul- ture 12.25	Gleysol and histosol inland lagoons; use livestock mainly agricultural and forest to a lesser extent.
Chontalpa (Miahuatlan)	Cárdenas	1225	Coastal 7.70% Lacustrine 0.40% Marsh 12.38%	Flooded and fertile soil types histosol and gleysol solonchack e histosol influence marina; agricul- tural use, forest to a lesser degree.
Pantanos y Ríos (Ejido Corralillo)	Macuspana	3186	Lacustrine 3.36% Marsh 4.480% Riparian 1.66/	Soils suitable for agriculture as well as grassland
Llanuras aluviales del norte (Chiapas)	Reforma	2000 a 3000	Litosol 4.38% Regosol 0.23% Cambisol 14.51% Gleysol 15.13%	Cultivated grassland and temporary agriculture
Llanuras aluviales del norte (Chiapas)	Macayo	2000 a 3000	Cambisol 14.51% Gleysol 15.13%	Land of crops

Barba-Macías et al. 2006, INEGI 2011 and INAFED 2017

exploration of the species *Capsicum* spp. **Tabla 2.** Localidad y códigos de los morfotipos colectados durante la

exploración de la especie Capsicum spp.

	7	
ENTRADA	TIPO	Descripción
		VICENTE GUERRERO
1	Amashito	VGAM
2	Amashito Redondo	VGAR
		EJIDO CERRO BLANCO
3	Amashito	ECBA
4	Pico de Paloma	ECBPP
5	Ojo de sapo	ECBOS
		RANCHERÍA EL PORVENIR
6	Corazón de Pollo	RPVCP
7	Pico de paloma	RPVPP
		MIAHUATLÁN
8	Amashito Morado	MIAM
9	Amashito Redondo	MIAR
10	Amashito Blanco	MIAB
11	Pico de Paloma	MIPP
12	Ojo de Cangrejo	MIOC
		REFORMA
13	Pico de Paloma	REPP
14	Amashito	REA
15	Amashito Bolita	REABo
		MACAYO
16	Amashito Alargado	MAAA
17	Pico de Paloma	MAPP
18	Amashito Grande	MAAG
19	Amashito	MAA
20	Garbanzo	MAG
		PORVENIR
21	Garbanzo Blanco	PVGB
22	Colmillo de Lagarto	PVCL
23	Corazón de Pollo	PVCP
24	Amashito	PVA
25	Pico de Paloma	PVPP
26	Pico de Paloma Delgado	PVPPD
		CORRALILLO
27	Pico de Paloma	CMPP
28	Pico de Paloma Blanco	СМРРВ
29	Colmillo de Lagarto	CMCL

Table 2. Sites and codes of the morphotypes collected during et al., 2009); 54% of its territory has warm, humid climate, 40% is warm, sub-humid; 3% is temperate humid, and 3% has temperate sub-humid climate. Some soil features of both study localities are shown in Table 1.

Ten fruits and ten flowers were measured per plant on a total of 134 plants, surveyed at the field. Measurements were made from November 2015 and February 2016 from the localities of Vicente Guerrero (VG), Ejido Cerro Blanco

Table 3. Qualitative and quantitative descriptors in Capsicum at Tabasco and the north of Chiapas States.

Tabla 3. Descriptores cualitativos y cuantitativos en Capsicum, en los estados de Tabasco y Norte de Chiapas.

	Characteristics	Code	Scale of measurement
Plant	Plant height	РН	1= <25, 2= 25-45, 3= 46-65, 4= 66-85 and >85 centimeters
	Leaf colour	LC	1=Yellow, 2=Light green, 3=Green, 4=Dark green, 5=Light purple, 6=Purple, 7=Variegated, 8=Other
	Stem diameter	SD	Centimeters
7	Leaf shape	LS	1=Deltoid, 2=Ovate, 3=Lanceolate
	Stem shape	SS	1=Cylindrical, 2=Angled, 3=Flattened
4	Stem colour	SC	1=Green, 2=Green with purple stripes, 3=Purple, 4=Other
	Plant growth habit	PGH	3= Postrate, 5=Intermediate, 7=Erect, 9=Other
	Branching habit	ВН	3=Sparse, 5=Intermediate, 7=Dense
Flower	Flower position	FP	3=Pendant, 5=Intermediate, 7=Erect
	Number of flowers per axil	NFA	1=One, 2=Two, 3=Three or more, 4=Many flowers in bunches but each in individual axil (fascicu- lated growth), 5=Other
Fruit	Number of seeds per fruit	NSF	Average of at least 10 fruits selected from the plants of each type.
	Fruit colour at intermediate stage	FC	1=White, 2=Yellow, 3=Green 3= Orange, 4=Purple, 5= Deep purple, 7=Other
	Fruit shape	FS	1=Elongated, 2=Almost round, 3=Triangular, 4=Campanulate, 5=Blocky, 6=Other
	Fruit length	FL	Measured 10 fruits in centi- meters
	Fruit width	FW	Measured 10 fruits in centi- meters
	Calyx Margin	СМ	1=Entire, 2=Intermediate, 3=Dentate, 4=Other

Descriptors and scales of measurement according to IPGRI (199

Chili fandraces characterization 63

(ECB), Miahuatlán (MI), El Porvenir (PV), Ranchería El Porvenir (RPV) and Corralillo Macupana (CM) in Tabasco State. Sampling was also made on the localities of Reforma (RE) and Macayo (MA) in the north of Chiapas State (see Table 2). For each collection, 16 variables were measured using the Morphologic Descriptors Manual for *Capsicum* (IP-GRI, 1995) shown in Table 3.

Statistical analysis. With the obtained data a Principal Component Analysis (PCA) and UPGMA (Unweighted pair Group Method with Aritmetic Mean) cluster analysis were effected standardizing the information to μ =0 and σ^2 =1, in such a way that the measured variables contribute more proportionally to the similarity estimation (Lévy & Varela, 2003). All the analysis were realized with SAS (Statistical Analysis System V9.0 2004). From the results obtained of this analysis, nine variables were selected according to Pla (1986). Five of them were qualitative (leaf colour LC, leaf shape LS, calyx margin CM, stem shape SS, fruit shape FS) and four were quantitative (fruit length FL, number of seeds per fruit NSF, plant height PH, stem diameter SD). With those nine variables, another PCA was performed standardizing the information to $\mu=0$ and $\sigma^2=1$ The significance of eigenvalues and eigenvectors obtained with the second PCA were determined following the indications of Kaiser (1960).

RESULTS

The Principal Component Analysis (PCA) (Table 4) showed that the total variance explained by the first three principal components (PC1, PC2 and PC3) was 58.27%; in accordance with Kaiser (1960), the eigenvalues of these components resulted significant. The principal component 1 (PC1), explained 22.5% of the total variance, and showed that the eigenvectors of the fruit shape and fruit length variables, as well as number of seeds per fruit and stem diameter resulted positive, significant results (and with greater weight); while the stem shape resulted significant but, with a negative sign.

The PC2 with a eigenvalue of 1.8654 and 20.73% of the variance explained, was only present high values for the leaf colour, fruit shape, fruit length and stem shape traits; and for values with a negative, while for FS and SS the significance resulted with a positive sign. The PC3 showed an eigenvalue of 1.3539 and contributed with 15.04% to the explanation of the total morphological variation. This principal component presenting relevant values related to the variables: leaf shape (negative sign), calyx margin and plant height; both positive sign.

Figure 1 shows the collections distribution according to the first two principal components (PC1 and PC2). Note that in the quadrant I, the highest values of plant height, stem diam-

Table 4. Eigenvalues and Eigenvectors, and explained variance for each principal component (PC) in nine qualitative and quantitative traits of the three principal components found in 29 Capsicum spp collections performed in Tabasco and the north of Chiapas states.

Table 4. Autovalores y Autovectores, y varianza explicada por cada componente principal en nueve caracteres cualitativos y cuantitativos de 29 colectas de Capsicum spp. de los estados de Tabasco y Norte de Ohiapas.

	PC1	PC2	PC3
Eigenvalues	2.0245 *	1.8654*	1.3539 *
Proportion of variance	0.2250	0.20732073	0.1504
Cumulative variance (%)	22.50	43.22	58.27
Traits		Eigenvectors	
Leaf Colour	0.1361	-0.5456*	0.0887
Leaf shape	-0.0582	0.1352	-0.4813*
Calyx margin	-0.1689	-0.1961	0.6016*
Fruit shape	0.3491*	0.3924*	-0.0623
Fruit length (cm)	0.3441*	-0.4525*	-0.1360
Number of seeds per fruit (number)	0.4732*	0.1662	-0.1247
Stem shape	-0.3340*	0.4030*	0.0753
Plant height (cm)	0.2194	0.2932	0 .5755*
Stem diameter (cm)	0.5707*	0.1040	0. 1541

^{*} Significative values (Kaiser, 1960).

eter and number of seeds per fruit were grouped, along with fruit shape. In the quadrant II we distinctively grouped the variants "Pico de paloma" (PP), "Corazón de pollo" (CP), and two types of "Amashito Blanco" (AB) and "Amashito Redondo" (AR); the variables with the highest incidence in this group were: leaf shape, calyx margin and fruit shape. The majority of the Amashito types were placed in quadrant III, the variables involved to group them here were: fruit length, calyx margin, stems shape and leaf shape. These traits make easy to identify the "Amashito" types from any other of types of chili collected.

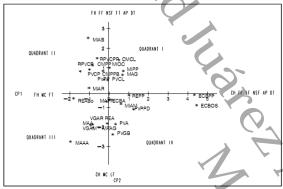


Fig. 1. Distribution of the 29 Capsicum spp. accessions in relation to the principal components 1 (CP1) and 2 (CP2) obtained from nine variables (qualitative and quantitative). The first initials indicate the place of collection followed by the initials of the accession Quadrant I (Corralillo Macuspana Colmillo of Lagarto, Rancheria Porvenir, Corralillo, Pico paloma, Miahuatlan Ojo of cangrejo, Corralillo Macuspana, Pico paloma Blanco, Miahuatlán Pico Paloma Macayo, Garbanzo and Porvenir Colmillo de lagarto. Quadrant II Miahuatlan Amashito Blanco, Rancheria porvenir Corazon de Pollo, Corralillo Macuspana Pico Paloma, Porvenir Corazon de pollo, Porvenir Pico Paloma and Miahuatlan Amashito Redondo, Quadrant III Reforma Amashito Bolita, Macayo Pico Paloma, Vicente Guerrero Amashito, Macayo Amashito Reforma Amashito, Macayo Amashito Grande and Macayo Amashito Alargado. Quadrant IV Reforma Pico Paloma, Ejido Cerro Blanco, Ejido Cerro Blanco Amashito, Ejido Cerro Blanco Ojo de Sapo, Porvenir Pico paloma Delgado, Porvenir Amashito and Porvenir Garbanzo Blanco).

Fig. 1. Distribución de 29 accesiones de Capsicum en relación de los componentes principales 1 (CP1) y 2 (CP2) obtenidos de nueve variables (cualitativas y cuantitativas). Aquí se explican las primeras iniciales que indican el lugar de recogida seguido de las iniciales de las accesiones. Cuadrante I (Corralillo Macuspana Colmillo de Lagarto, Rancheria Porvenir Corralillo, Pico paloma, Miahuatlan Oio de cangreio, Corralillo Macuspana, Pico paloma Blanco, Miahuatlán Pico Paloma, Macayo, Garbanzo y Porvenir Colmillo de lagarto. Cuadrante II Miahuatlan Amashito Blanco, Rancheria porvenir Corazon de Pollo, Corralillo Macuspana Pico Paloma, Porvenir Corazon de pollo, Porvenir Pico Paloma and Miahuatlan Amashito Redondo, Cuadrante III Reforma Amashito Bolita, Macayo Pico Paloma, Vicente Guerrero Amashito, Macayo Amashito Reforma Amashito, Mcayo Amashito Grande y Macayo Amashito Alargado Cuadrante IV Reforma Pico Paloma, Ejido Cerro Blanco, Ejido Cerro Blanco Amashito, Ejido Cerro Blanco Ojo de Sapo, Porvenir Pico paloma Delgado, Porvenir Amashito y Porvenir Garbanzo Blanco)

The collections that presented lower average frequency (data not showed) in terms of leaf colour, calvx margin and fruit length were grouped in quadrant IV; for these three variables the "Amashito" and "Garbanzo" can be observed. Whereas for plant height and number of seeds per fruit. "Ojo de sapo" (OS) and "Pico de paloma" (PP) can be observed (quadrant IV). Figure 2 shows the distribution of the collections according to the components 1 and 3 (PC1 and PC3). Note that there is certain similarity in the distribution of collections as observed in Figure 1. However, there was a change in the distribution and placement of some accessions. For instance, the accessions "Ojo de sapo" ECB-OS collected at Ejido Cerro Blanco) changed from quadrant IV to quadrant I, the MI-OC (Miahuatlán Ojo de cangrejo), collection showed an opposite change than the ECB-OS (from quadrant I to quadrant IV), while the MI-AB (Miahuatlán Amashito Blanco) collection is placed in quadrant II in Figure 1, and in Figure 2 can be seen in quadrant III. Figure 3 (dendrogram) shows that the 29 populations found formed 10 well defined groups. Group 1 at a distance of 0.70, includes the collection Colmillo de lagarto (CL), Pico de paloma (Capsicum frutescens), Pico de paloma blanco (PPB) and Amashito (A). Studies have been carried out new forms and found, new variants this according to the reciprocity between farmers as well the intra o interspecific breeding. The first three accessions "Colmillo de lagarto", (CL) "Pico de paloma" (PP) and "Pico de paloma blanco" (PPB), (C. frutescens) were found in the Corralillo locality and the "Amashito" was found in the Ejido Cerro Blanco (ECB). The G1 collections correspond to higher values than average in terms of leaf colour, calyx margin and stem diameter. The group 2 (G2) at a distance of 0.63, includes six collections: two of "Amashito grande" (AG) and amashito spotted (AM) and four of "Pico de paloma"; the variables that presented a higher value than the average in this group (G2) were: leaf colour, leaf shape, calyx margin, plant height and stem diameter. The collections "Amashito round" (AR), "Ojo de cangrejo" (OC) and "Amashito Bolita" (ABo) formed the Group 3 (G3). They joined at a distance of 0.68; the variables that exceeded the general average were: leaf colour (LC), leaf shape (LS), calyx margin (CM) and stem diameter (SD). In group 4 (G4) two accessions of "Corazon de pollo" (CP) and one of "Pico de paloma" (PP) joined at a distance of 0.59; six variables defined this group (G4): leaf colour (LC), leaf shape (LS), calyx margin (CM), number of seeds per fruit (NSF), plant height (PH) and stem diameter (SD). The group 5 was formed with the highest number of accessions (7), this group was characterized by clustering two types of variants: Amashito (A) and Garbanzo (G); the variables that differentiated this group from the rest were: leaf colour (DC), leaf shape (LS), calyx margin (CM) and stem diameter (SD). The groups from 6 to 10 (except for group 9 that was formed by two accessions were clustered in just one collection, and are characterized by the variables: plant height (PH), stem diameter (SD), stems shape (SS) and number of seeds per fruit (NSF).

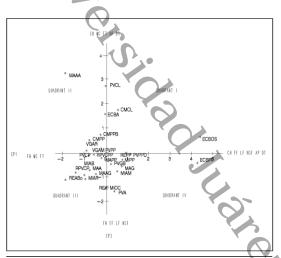


Fig. 2. Distribution from 29 Capsicum spp accessions in relation. the principal components 1 (CP1) and 3 (CP3) obtained from nine variables (qualitative and quantitative). The fact that the genotypes are close to the zero or to the axes means that they share characteristics with that component. The scale has no measure. The first initials indicate the place of collection followed by the initials of the accession (Quadrant I Porvenir Colmillo of Lagarto, Corralillo Macuspana Colmillo of Lagarto, Ejido Cerro Blanco Amashito, ralillo Macuspana Pico Paloma Blanco, Ejido Cerro Blanco Ojo de Sapo, Porvenir Pico Paloma and Reforma Pico Paloma, Quadrant Il Macayo Amashito Alargado, Corralillo Macuspana Pico Paloma, Vicente Guerrero Amashito Redondo, Vicente Guerrero Amashito, Porvenir Corazón de Pollo. Quadrant III Miahuatlan Amashito, Bolita, Rancheria Porvenir Corazón of Pollo, Macayo Amashito, Reforma Amashito Bolita, Macayo Amashito, Miahuatlan Amashito Redondo and Reforma Amashito. Quadrant IV Reforma Pico Paloma. Porvenir Pico Paloma Delgado, Mcayo Pico Paloma, Miahutlan Pico Paloma, Ejido Cerro Blanco Pico Paloma, Porvenir Garbanzo Blanco, Macayo Garbanzo, Miahuatlan Ojo of Cangrejo Porvenir Amashito)

Fig. 2. Distribución de 29 accesiones s colecta de Capsicum spp en relación en los componentes principales 1 (CP1) y 3 (CP3) obtenidos de nueve variables (cualitativas y cuantitativas). El hecho de que los genotipos se encuentran cerca del cero o de los eies sianifica que con este componente comparte características en común. La escala no tiene medida. Las primeras iniciales indican el lugar de colección, seguido por las iniciales de la accesión (cuadrante I. Porvenir Colmillo of Lagarto, Corralillo Macuspana Colmillo of Lagarto, Ejido Cerro Blanco Amashito, Corralillo Macuspana Pico Paloma Blanco, Ejido Cerro Blanco Ojo de Sapo, Porvenir Pico Paloma and Reforma Pico Paloma, Cuadrante II Macavo Amashito Alargado, Corralillo Ma-Guerrero Amashito, Porvenir Corazón de Pollo. Cuadrante III Miahuatlan Amashito, Bolita, Rancheria Porvenir Corazón of Pollo, Macayo Amashito, Reforma Amashito Bolita, Macayo Amashito, Miahuatlan Amashito Redondo and Reforma Amashito. Cuadrante IV Reforma Pico Paloma, Porvenir Pico Paloma Delgado, Mcayo Pico Paloma, Miahutlan Pico Paloma, Ejido Cerro Blanco Pico Paloma, Porvenir Garbanzo Blanco, Macayo Garbanzo, Miahuatlan Ojo of Cangrejo and

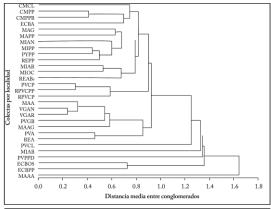


Fig. 3. Dendogram of grouping of 29 *Capsicum* spp. accessions collections based on nine variables (qualitative and quantitative). Fig. 3. Dendograma de agrupamiento de 29 accesiones de *Capsicum* spp., en base a nueve variables (cualitativas y cuantitativas).

DISCUSSION

When the variables that contributed little or nothing to the first and second principal components stem colour (SC), growth habit plant (GHP), branching habit (BH), flower position (FR), fruit colour (FC), and fruit shape (FS) and number of flowers per axil (NFA). The Principal Component Analysis (PCA) explanation improved; However, it did not reach the 80% suggested by Pla (1986) as a preset limit for the PCA to better explain the variability of the germplasm evaluated. A possible explanation about why only 58.7% of the variation was explained by the first three principal components in our research can be that the morphotypes collected, some of them could be natural crossbreeds in the localities of collection the different plants could have grown close by or even, studies have been carried out new forms and found, new variants, this according to the reciprocity between farmers as well the intra o interspecific breeding Pérez-Castañeda et al. (2015). Too, in this regard, Onus & Pickersyil (2004) mention that there is a unilateral incompatibility among some Capsicum species, meaning that there is a one direction crossbreeding but not in the opposite direction, as it has been observed with the "Pico de paloma" (Azurdia, 2014). Working with Pico de paloma Capsicum frutescens, De la Cruz et al. (2017) reported that the first three principal components explained 37 its variability. On the other hand, working with timpinchile Capsicum annum Alonso et al. (2012) found explained 52.1% of the total morphological variation in the germplasm evaluation ated. Other examples are Moreno-Pérez et al. (2011) work with guajillo chili and found that 58.0% of the variation was explained by the first three principal components, Barbosa et al. (2010) worked with four chili fruit traits and found that

66

firsts two components explained 94.36% from total variation. While Pardey et al. (2006) studied Capsicum and found that the first four principal components explained 73.0% of the total variation; Martinez-Sanchez et al. (2010) studied chili the explained an 85% of the variation total; Toledo-Aguilar et al. (2016) in chili poblano with four components only explained 56 % of the total variation. However, the validity of our study is based on the proposals by Trejos (2007), who indicates that if the data is standardized, then all the principal components associated to eigenvalues equal or greater than 1.0, should be taken into consideration to explain the variation, and that was done in our research. Then, when using the principal components, the species studied have to be taken into consideration, to define the amount of principal components and better explain the variation of the measured traits in collections or the morphotypes evaluated. The collections distribution based on the principal component analysis agrees with the reporting by Latournerie et al. (2002), who found that the measured variable of Capsicum spp. that mostly contributed in each principal component was the leaf shape (LS), just as what was found in our research. As well, Barbosa et al. (2010); Villota et al. (2012) found that the fruit length (FL) in chili were the most important traits that explained the morphological variation of their collections evaluated, similar results was obtained in our research. The collections grouped in Figure 3 correspond to the type that these correspond as well as the variables that are similar among them. Similar results were reported by Hernández-Verdugo et al. (2006), Castañón-Nájera et al. (2008), Moreno-Pérez et al. (2011) and Hernández-Verdugo et al. (2012); who indicated that the wild species of their collections were grouped due to stem diameter (SD), plant height (PH), fruit weight (FW) and number of seeds per fruit (NSF) variables, similar to our research. Martínez-Sánchez et al. (2010) performed greenhouse chili collections and found that the main variables used to group them were: plant height (PH) and fruit length (FL), with higher averages of each variable than those in our work.

CONCLUSIONS

Of the 29 collections of chili collected in the study regions one of them is a new variant of Amashito, while the variants locality known as "Ojo de sapo" (OS) and Colmillo de lagarto (CL) were found for the first time in the region of Tabasco. In the north of Chiapas, only two variables of Amashito (normal the morphological characteristics of this type of variant are ripe fruits lightly oval red-orange colour and bolita is a ripe fruit of a red colour of a very round shape) were collected. The principal component analysis and cluster analysis showed that the grouping tendency of the collections was according to the type of species, and secondarily according to the collection site. Although we only considered nine morphological traits, the percentage of the total variation explained by the three

principal component selected to nine variables, five qualitative (leaf colour LC, leaf shape LS, calyx margin CM, stem shape SS, fruit shape FS) and four quantitative (fruit length FL, number of seeds per fruit NSF, plant height PH, stem diameter SD). One of the reasons of great importance for the conservation of wild and semi-wild plant genetic resources is because they have an agglomeration of genes.

ACKNOWLEDGEMENTS

This work was supported by the Universidad Juárez Autónoma (UJAT) and CONACyT financing the project for the realization of the doctoral program of Yasmín Araceli Gálvez Muñoz.

REFERENCES

Aguilar, R.V.H., T. Corona T. & S.H. Morán B. (2006). Chiles criollos (*Capsicum* spp., *Solanaceae*) de los estados de Puebla y Morelos. En: P. López L. y S. Montes H. (eds.), pp. 28-58. Avances de investigación de la red de hortalizas del SINAREFI. Libro Científico Núm. 1. Çampo Experimental Bajío INIFAP. Celaya, Guanajuato, México.

Alonso, B.R.A., B.C. Zambrano, R.M. Quiroga, M. de los A.E. Rosales & P.D. Ponce (2012). Caracterización morfológica y molecular de la variabilidad genética del timpinchile (Capsicum annum L. yar. glabriusculum sin. aviculare) en Chiapas. Quebacer Científico en Chiapas 13: 4-18.
Azurdia, C. (2014). Cultivos nativos de Guatemala y Bioseguridad

Azurdia, C. (2014). Cultivos nativos de Guatemala y Bioseguridad del uso de organismos vivos modificados. Chile (Capsicum spp.). Documento técnico No. 7-2014. Publicación patrocinada gracias al apoyo de GEF-UNEP, 54 p. Fecha de consulta 12/8/2016.

Barba-Macías, E., J. Rangel-Mendoza & R. Ramos-Reyes (2006). Clasificación de los humedales de Tabasco mediante sistemas de información geográfica. *Universidad y Ciencia* 22: 101-110.

Barbosa, R.I., M. Mourão J. & F.J.F. Luz (2010). Morphometric patterns and preferential uses of *Capsicum* peppers in the State of Roraima, Brazilian, Amazonia. *Horticultura Brasileira* 28: 477-482.

Bosland, P.W. (1996). Capsicums: Innovative uses of an Ancient Crop. In: J. Janick (ed.), pp. 479- 489. Progress in New crops. ASHS Press, Arlington, VA.

Bosland, P.W. & E.J. Votava (2012). Peppers: vegetable and spice capsicums. 2nd ed. Cabi publishing. London UK. 243 p.

Castañón-Nájera G., L. Latournerie-Moreno, M. Mendoza-Elos, A. Vargas-López & H. Cárdenas-Morales (2008). Colección y caracterización de Chile (Capsicum spp.) en Tabasco, México. Phyton International Journal of Experimental Botany 77:189-202.

Castellón-Martínez E., J.C. Carrillo-Rodríguez, J.L. Chávez-Servia & A.M. Vera-Guzmán. (2014). Variación fenotípica de morfotipos de chile (Capsicum annuum L.) nativo de Oaxaca, México. Phyton International Journal of Experimental Botany 83: 225-236.

De la Cruz L., E., C. Márquez-Quiroz, R. Osorio-Osorio, P. Precia-do-Rangel & C. Márquez-Hernández. (2017). Caracterización morfológica in situ de chile silvestre Pico de paloma (Capsicum frutescens) en Tabasco, México. Acta Universitaria 27: 10-16.

Eshbaugh, W.H. (1993). History and exploitation of a serendipitous new crop discovery. In: J. Janick and J.E. Simon (eds.), pp. 132-139. New crops. Wiley, New York.

- González, A.F. & J.M. Pita V (2001). Conservación y Caracterización de Recursos Fitogenéticos. Ed. Mundi-Prensa. Madrid, España. 279 p.
- Gunn, S. (2004). Why genetic diversity matters? International Board for Plant Genetic Resources. Marchesi Grafiche Editoriali Spa. Roma, Italia. 22 p.
- Hernández-Verdugo, S., R.G.G. Guevara, R.F. B. Rivera, C.Y. Vázquez & K. Oyama. (1998). Los parientes silvestres del chile (Capsicum spp.) como recursos genéticos. Boletín de la Sociedad Botánica de México 62: 171-181.
- Hernández-Verdugo, S., A. González R., P. Sánchez P., A. Casas & K. Oyama. (2006). Estructura y diferenciación genética de poblaciones silvestres y domesticadas de chile del noreste de México analizadas con isoenzimas y RAPDs. Revista Fitotecnia Mexicana 29: 25-29.
- Hernández, V. S.J.R., M. Bollo M., A.P. Méndez L. & E.J.M. Figueroa M. (2009). Formación y morfogénesis del relieve del extremo noroccidental del estado de Chiapas, México. *Investiga*ciones Geográficas, Boletín 68: 25-40.
- Hernández-Verdugo, S., F. Porras, A.O. Pacheco, R.G.E. López, M.R. Villareal, S.T. Parra & E. Osuna (2012). Caracterización y variación ecogeográfica de poblaciones de chile (Capsicum annuum var. glabriusculum) silvestre del Noroeste de México. Polibotánica 33: 175-191.
- Instituto Nacional de Estadística, Geografía E Informática (INEGI) (2011). Disponible en http://siget.tabasco.gob.mx/estadistica/anuarios/anuario2005/index.php. Fecha de consulta; [10/07/2017].
- Instituto Nacional para el Federalismo y el Desarrollo Municipal (INAFED) (2008). Disponible en http://www.inafed. gob.mx. Fecha de consulta: [11/07/2017].
- IPGRI-AVRDC-CATIE (1995). Instituto Internacional de Recursos Fitogenéticos (IPGRI), Centro Asiático para el Desarrollo y la Investigación relativos a los Vegetales (AVRDC), Centro Agronómico Tropical de Investigación y Enseñanza (CATIE). Descriptores para (Capsicum spp), 110 p.
- Kaiser, H.F. (1960). The application of electronic computers to factor analysis. Educational and Physchological Measurement 20: 141-151.
- Latournerie, M.L., J.L. Chávez S., M. Pérez P., G. Castañón N, S.A. Rodríguez H, L.M. Arias R. & P. Ramírez V. (2002). Valoración in situ de la Diversidad Morfológica de chiles (Capsicum annuunm L. and Capsicum chinense jacq.) en Yaxcabá, Yucatán. Revista Fitotecnia Mexicana 25: 25-33.
- Lévy, M. J. P. & M.M.J. Varela (2003). Análisis multivariable para las ciencias sociales. Pearson Educación, S. A., Madrid. 896 p.
- Martínez-Sánchez, D., M. Pérez-Grajales, J.E. Rodríguez-Pérez & E.C. Moreno-Pérez. (2010). Colecta y caracterización morfológica de 'chile de agua' (Capsicum annuum L.) en Oaxaca, México. Revista Chapingo Serie Horticultura 16: 169-176.
- Milla, A. (2006). Capsicum de capsa, cápsula el pimiento. Pimientos, Compendios de Horticultura. http://www.horticom.com/tematicas/. Revisado 30-04-2016.
- Morán, B.S.H., M. Ribero, F.B.Y. García & P. Ramírez V. (2004). Patrones isoenzimáticos de chiles criollos (Capsicum annuum L.) de Yucatán, México. En: Chávez-Servia, J.L., J. Tuxill y D.I. Jarvis (eds.), pp. 83-89. Instituto Internacional de Recursos Fitogenéticos. Cali, Colombia.
- Moreno-Pérez, E.C., C. H. Avendaño-Arrazate, R. Mora-Aguilar, J. Cadena-Iñiguez, V. H. Aguilar-Rincón & J.F. Aguirre-Medina (2011). Diversidad morfológica en colectas de chile guajillo (Capsicum annuum L.) del centro-norte de México. Revista Chapingo serie Horticultura 17: 23-30.

- Nsabiyera, V., M. Logose, M. Ochow-Ssemakula, P. Sseruwagi, P. Gibson & C. Ojiewo. (2013). Morphological characterization of local and exotic hot pepper (Capsicum annuum) collections in Uganda. Bioremedation, Biodiversity and Bioavailability 7: 22-32.
- Occhiuto, P.N., I.E. Peralta, P.O. Asprelli & C.R. Galmarini (2014). Characterization of *Capsicum* germplasm collected in Northwestern Argentina based on morphological and quality traits. *Agrisci*entia 31: 63-73.
- Onus, A. N., & B. Pickersgill (2004). Unilateral incompatibility in Capsicum (Solanaceae): Occurrence and taxonomic distribution. Annals of Botany 94: 289-295.
- Ortega, P.Ř. (1991). Chile (Capsicum spp.). En: Avances de los Recursos Fitogenéticos de México. Sociedad Mexicana de Fitogenética. México, D.F. pp. 217-237.
- Pardey, R. C., M. A. García D, F. A. Vallejo C. (2006). Caracterización morfológica de cien introducciones de *Capsicum* del Banco de Germoplasma de la Universidad Nacional de Colombia Sede Palmira. *Acta Agronómica* 55: 1-10.
- Pla, E. (1986). Análisis Multivariado: Método de Componentes Principales. Secretaria General de la Organización de los Estados Americanos, Washington D.C., 94 p.
- Pérez-Castañeda, L. M; G.N. Castañón, M. M. Ramírez & N. P. Mayek. (2015). Avances y perspectivas sobre el estudio del origen y la diversidad genética de *Capsicum* spp. *Ecosistemas y Recursos* <u>Agropecuarios</u>. 2: 117-128.
- Ramírez-Meraz, M., H. Villalón-Mendoza, V.H. Aguilar-Rincón, T. Corona-Torres & L. Latournerie-Moreno (2015). Caracterización morfológica de chiles silvestres y semidomesticados de la Región Huasteca de México. *Agroproductividad* 8: 11-16.
- Ruíz-Álvarez, O., R. Arteaga-Ramírez, M.A. Vázquez-Peña, R.E. Ontiveros-Capurata & R. López-López. (2012). Balance hídrico y clasificación climática del estado de Tabasco, México. *Universidad y Ciencia* 28: 1-14.
- Salinas, H.R.M., E.A. L. Liévano, F.M. Ulín, J.N. Mercado & J.D. Petit (2010). Caracterización morfológica y cambios durante la vida postcosecha de cuatro tipos de chile amashito (Capsicum annunm L.) Variedad glabriusculum. Revista Iberoamericana de Tecnología Postcosecha 11: 92-100.
- SAS Institute (2004). SAS User's Guide: Statistics. Version 9.4. Statistic Analysis System Institute. Cary, North Carolina, USA. 1032 p.
- Toledo-Águilar, R., H. López-Sánchez, P. Antonio L, J.D. Guerrero-Rodríguez, A. Santacruz-Varela & A. Huerta-de la Peña (2016). Diversidad morfológica de poblaciones nativas de chile poblano. Revista Mexicana de Ciencias Agrífolas 7: 1005-1015
- Trejos, Z.J. (2007) Análisis multivariado de datos. https://correo. emate.ucr.ac.cr./~jtrejos/Libros/NotasAD.pdf. Libro en línea bajado el 17/04/2017.
- Villota, C.D., M.L.B. Bonilla, H.C. Carmen, J.V. Jaramillo & M.A.D. García (2012). Caracterización morfológica de introducciones de *Capsicum* spp. existentes en el Banco de Germoplasma activo de Corpoica C.I. Palmira, Colombia. *Acta Agron*ómica 61: 16-26.

1	Diferencias morfológicas y moleculares de chiles
2	
3	CAPITULO 6.2 Comparación morfológica y molecular de poblaciones de chile
4	(Capsicum spp.) de Tabasco y Chiapas, México
5	Morphological and molecular comparison of pepper populations (Capsicum spp.)
6	From Tabasco and Chiapas, Mexico
7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20	Yasmín Araceli Gálvez-Muñoz¹, María Esther Cea-Migenes², Julia María Lesher-Gordillo³, Luis Latournerie-Moreno⁴, Eusebio Martínez-Moreno⁵, José Luis Martínez-Sánchez⁶ Guillermo Castañón-Nájera*7. División Académica de Ciencias Biológicas-Universidad Juárez Autónoma de Tabasco. Kilómetro 0.5 Carretera Villahermosa-Cárdenas, Entronque Bosques de Saloya, Villahermosa, Tabasco, México¹,36,7, ²Universidad Agraria de la Habana "Fructuoso Rodríguez Pérez "Carretera Tapaste y Autopista Nacional Km 23 1/2, San José de Las Lajas, Mayabeque, Cuba, ⁴Instituto Tecnológico de México, Antigua Carretera Mérida-Motul, Conkal Yucatán, México, ⁵División Académica de Ciencias Agropecuarias- Universidad Juárez Autónoma de Tabasco. La Huasteca 2ª Sección. Kilómetro 25,0, Carretera Villahermosa-Teapa. Autor de Correspondencia: guillermo corazón_Valiente@hotmail.com.
22	Resumen
23	Con la aparición de las técnicas moleculares, en años recientes se está usando poco
24	la caracterización morfológica de especies vegetales importantes para la humanidad.
25	El objetivo del presente trabajo fue la caracterización morfológica y molecular de 21
26	poblaciones silvestres y criollas de C. annuum L. y C. frutescens L. de los estados de
27	Tabasco y Chiapas. A las poblaciones se les midió in situ los caracteres: forma y
28	diámetro del tallo (FT y DT), Altura de planta (AP), color y forma de la hoja (CH y
29	FH), forma y longitud del Fruto (FF y LF) y número de semillas por fruto (NSF).
30	Asimismo, se determinó la diversidad genética utilizando marcadores Microsatélites o
31	Secuencias simples repetidas (SSRs). La extracción del ADN se realizó en tres

muestras de 0.5 g cada una de tejido de hojas frescas de 10 plantas. Al comparar los clusters (morfológico y molecular), sólo las poblaciones ACB (Amashito Cerro Blanco), PPBCR (Pico de Paloma Blanco Corralillo) y AMA (Amashito Macayo); AVG (Amashito Vicente Guerrero) y AMI (Amashito Miahuatlán), presentaron similar agrupamiento. Se determinaron 229 alelos, 66 de ellos fueron polimórficos. El análisis molecular de varianza (AMOVA) explicó 13.0% de la variabilidad entre poblaciones, y alelos dentro de individuos dentro de poblaciones el 87.0% restante. Los valores de los estadísticos estimados fueron: FsT = 0.176, Fis = -0.448 y FiT = -0.193.

41 Palabras clave: Análisis Molecular, Diversidad genética, Marcadores moleculares,

Caracterización Morfológica, Poblaciones silvestres.

44 ABSTRAC

With the advent of molecular techniques, in recent years being used little morphological characterization of plant species important for humanity. The objective of this work was the morphological and molecular characterization of 21 wild and native populations of C. annuum I. and C. frutescens I. in the States of Tabasco and Chiapas. Populations was them measured in-situ characters: shape and diameter of the stem (FT and DT), height of plant (AP), color and shape of the leaf (CH and FH), form and length of the fruit (FF, and LF) and number of seeds per fruit (NSF). In addition, genetic diversity was determined using markers microsatellite or simple repeated sequences (SSRs). The DNA extraction was performed in three samples of 0.5 q of tissue of fresh leaves of 10 plants. To compare the clusters (morphological

55 and molecular), only the populations ACB (Amashito Cerro Blanco), PPBCR (Pico of 56 Paloma Blanco Corralillo) and AMA (Amashito Macayo); AVG (Amashito Vicente Guerrero) and AMI (Amashito Miahuatlán), presented similar grouping. 229 alleles 57 58 were determined, 66 of them were polymorphic.

59 The molecular analysis of variance (AMOVA) explained 13.0% of the variability 60 between populations, and alleles within individuals within populations the remaining 61 87.0%. The values of the estimated statistics were: FST = 0.176, FIS = -0.448 and 62 FIT = -0.193.

Key words: Molecular analysis, genetic diversity, molecular markers, morphological characterization, wild populations. ns.

65

66

67

63 64

INTRODUCCION

68

69

70

71

72

73

74

75

76

77

78

Entre las hortalizas de mayor consumo a nível mundial se encuentra Capsicum, está clasificada dentro de las solanáceas (González et al., 2011). A Capsicum se le considera la hortaliza de mayor impacto económico y social. En México el chile tiene importancia cultural, social y económica, ello, por ser un producto de exportación, poseer amplia distribución y porque su consumo per cápita es de 8 a 9 kg, del cual 75% es en fresco (Castellón-Martínez et al., 2012). Según Latournerie et al. (2002); y Martínez-Sánchez et al. (2010), México es uno de los centros de domesticación de diversas especies vegetales, y entre ellas está el género Capsicum, de acuerdo con MacNeish (1964), fue de las primeras plantas domesticadas en América, y la que se usa como especia, condimento, verdura,

79 ornamental, medicinal, en factores culturales y biológicos, por su alto valor 80 nutrimental en la dieta humana, en la industria cosmetológica y farmacéutica, como artefacto de guerra y en rituales religiosos (Stavêlíková et al., 2010; Sudré et al., 81 2010; Tan et al., 2015; Zhang et al., 2016; Massot y Barbieri, 2016b; Haralayya y 82 83 Asha, 2017). 84 Los métodos para analizar la diversidad genética han evolucionado de manera gradual, anteriormente los estudios se basaban en caracteres morfológicos, y en 85 Capsicum está metodología se ha usado para identificar poblaciones silvestres, 86 87 criollas o comerciales, pasando por las evaluaciones electroforéticas de variantes bioquímicas y, más recientemente, mediante el análisis molecular en las secuencias 88 de ADN. La caracterización morfológica en los últimos años ha sido cuestionada por 89 el hecho de que algunos caracteres morfológicos son afectados por el ambiente, por 90 considerarla ineficiente, costosa y por requerir de más tiempo en su medición. 91 92 Asimismo la caracterización morfológica en ocasiones no es capaz de detectar diferencias entre variedades con comportamiento agronómico diferente. Ejemplo de 93 94 ello, es lo reportado por Kwon et al. (2005), quienes al estudiar 40 descriptores 95 morfológicos en diferentes variedades de chile en Corea del Sur, que son agronómicamente distintas 96 morfológicamente semejantes pero su comportamiento, no presentaron desigualdades entre ellas desde el punto de vista 97 98 morfológico. Varias investigaciones son reportadas en las que se estudió la 99 divergencia genética entre marcadores morfológicos y moleculares en Capsicum spp. Por ejemplo, Baba et al. (2015), caracterizó chile habanero con datos morfológicos 100 101 de fruto y moleculares con marcadores AFLP. Carvalho et al. (2017) estimaron la variabilidad genética de colecciones de germoplasma Brasileño de Capsicum frutescens, con caracteres morfológicos y marcadores moleculares SSRs. Thul et al. (2012) realizaron un análisis de la diversidad genética de Capsicum spp. en características florales y con marcadores RAPDs e ISSR. En base a lo anterior, los objetivos de esta investigación fueron estimar la estructura y el polimorfismo microsatelites o SSRs de 21 poblaciones silvestres y criollas de *C. annuum* L. y *C. frutescens* L. colectadas en los estados de Tabasco y Chiapas.

MATERIALES Y MÉTODOS

Material vegetal.

Se evaluaron *in situ* 21 poblaciones de *C. annuum* L. *y C. frutescens* L., para la cuantificación de las variables medidas en el material colectado (Cuadro 1), se usó el manual de descriptores para C*apsicum* del IPGRI-AVRDC-CATIE (1995). El nombre con el que los lugareños identifican a cada población, el sitio de colecta, especie a la que pertenece cada una de ellas, y la escala en que se midió cada característica se dan en el Cuadro 2.

Extracción de ADN y amplificación de Microsatélites o SSRs.

Se seleccionaron 10 plántulas por población a los 40 días de edad y de ellas se escogieron 18 hojas jóvenes, de las que se tomó tres repeticiones de 0.5 g de tejido, cada muestra se trituró con nitrógeno líquido con un pistilo en un mortero de porcelana. Para la extracción del ADN se utilizó el kit comercial Wizard Genomic DNA Purification® (Promega), y el método de Dellaporta *et al.* (1983).

125 Los marcadores microstélites o SSRs usados en esta investigación fueron 126 seleccionados de los probados por Contreras-Toledo et al. (2011). Los oligonucleótidos se marcaron con las etiquetas fluorecentes 6-FAM y HEX (Applied 127 Biosvstems, Foster City, California, USA) en el extremo 5' (Cuadro 3) para su 128 129 detección en un secuenciador de fragmentos por electroforesis capilar. Según 130 Cadima et al. (2013) entre las ventajas que presentan los marcadores microsatelites 131 o SSRs es que estos utilizan poca cantidad de ADN en la amplificación. Los iniciadores fueron amplificados de forma individual. La amplificación en PCR múltiple 132 133 se realizó en mezclas de reacción con el kit que contenía 16.375 µL de H₂O libre de 134 Nucleasas, 0.5 µL primer's Delante, 0.5 µL primer's Reversa, PCR nucleótidos 0.5 μL, 5XGreen or Colorless (GoTag Reaction Buffer) 5 μL, 0.125 μL Tag polimerasa y 2 135 136 µL de ADN. La amplificación se realizó con una desnaturalización inicial de 4 min a 94 °C, 35 ciclos de 1 min a 94 °C, 1 min a 65 °C, 2 min a 72 °C y una extensión final 137 de 12 min a 72 °C. La cantidad y calidad del ADN obtenido se evaluó en geles de 138 139 agarosa al 1.2 %, para ello se utilizó una solución amortiguadora de ácido bórico de 140 sodio 1X o solución SB como medio conductor para electroforesis de ADN (Brody y 141 Scott, 2004). Los productos de PCR se corrieron en gel de agarosa al 1.2 % y 160 voltios con 142 143 intensidad de 50 miliamperes (mA) durante 100 min. Cada gel fue teñido con 144 Bromuro de etidio (Sambrook et al., 1989). Los geles se visualizaron en un 145 transiluminador con luz UV. El peso molecular de los fragmentos de ADN obtenidos 146 se visualizó con la ayuda de un marcador de 100-1000 pares de bases ADN Ladder

(PROMEGA. La cuantificación de las bandas se realizó con la escala binaria de presencia (1) y ausencia (0).

ANÁLISIS ESTADÍSTICO

Caracterización morfológica.

Se estimó las medias de las ocho variables evaluadas y se realizó un análisis cluster con las 21 poblaciones de Capsicum spp., para ello se usó la matriz de distancias por el Método de Agrupamiento de Pares no Ponderados con Medias Aritméticas (UPGMA), la altura de corte para formar los clusters o grupos se determinó mediante el criterio cúbico de agrupamiento (CCC), la pseudo estadística T cuadrada de Hotelling (PST²) y la pseudo F (Johnson, 2000). Los datos se estandarizaron con µ=0 y σ^2 =1. El análisis de medias y cluster se realizaron con el paquete estadístico SAS O. C. O. versión 9.0 (2004).

159

160

161

162

163

164

165

166

167

168

147

148

149

150

151

152

153

154

155

156

157

158

Caracterización molecular.

Las distancias genéticas entre poblaciones se estimaron en base a una matriz de presencia (1) y ausencia (0) de un alelo en un locus. La similitud genética se determinó con el coeficiente de Dice (Nei y Li, 1979), y con ella se generó un dendograma con el método UPGMA (Método de Agrupamiento de Pares no Ponderados con Medias Aritméticas) y 5000 permutaciones mediante los programas FreeTree y TreeView (Page, 1996). Con el propósito de determinar la estructura genética de las poblaciones evaluadas, se realizó un Análisis Molecular de Varianza (AMOVA), para ello se usó el programa GenAlex 6.5 (Peakall y Smouse, 2012).

RESULTADOS Y DISCUSIÓN

Caracterización morfológica.

170

171

172

173

174

175

176

177

178

179

180

181

182

183

184

185

186

187

188

189

190

191

192

Los promedios de los ocho caracteres medidos en las poblaciones de Caspicum spp., se muestran en el Cuadro 4. Obsérvese, que excepto para la variable forma del Tallo (FT), en las otras siete características se encontraron diferencias entre el germoplasma evaluado, por lo que las poblaciones de C. annuum y C. frutescens, se pueden identificar sin dificultad. Lo encontrado en nuestra investigación presentan cierta similitud a lo reportado por Pardey et al. (2006); y Massot et al. (2016a), quienes concluyeron de los resultados obtenidos en sus estudios, que la variabilidad del género Capsicum se da primero por las características de fruto, seguido por las de la arquitectura de la planta. Resultados similares a esta investigación, pero en poblaciones de C. frutescens para diámetro de tallo (DT) y longitud de fruto (LF) con promedios de 1.51 cm y 1.50 cm, los reportaron Carvalho et al. (2017); y Jarret et al. (2007). De su estudio, Carvalho et al. (2017), concluyeron que ambas evaluaciones (morfológica y molecular), proporcionaron una visión más amplia de la variabilidad existente en las poblaciones probadas de C. frutescens. El dendograma de las poblaciones con datos morfológicos se muestra en la Figura 1. Los parámetros para formar los ocho clusters o grupos fueron a 0.96 de distancia, el criterio cúbico de agrupamiento (CCC) de 3.19, la pseudoestadística T cuadrada de Hotelling (PST²) (Johnson, 2000) fue 10.8 y la pseudo F (PSF) de 21.3. En el cluster 1, se agruparon las poblaciones ABMI y CPRPV por los caracteres FT, AP y FH. El clusters 2 fue formado por las poblaciones criollas Colmillo de Lagarto (CLCR y

193 CLPV) que comparten promedios similares en las variables AP, DT, CH, FH y FF, y 194 Amashito Cerro Blanco (ACB) se unió a ellas por mostrar similitud en los promedios de las tres últimas características. El cluster 3 se caracterizó por agrupar a las 195 poblaciones Pico de Paloma (PPBCR, PPPV, PPCR) y Corazón de Pollo (CPPV). El 196 197 mayor número de poblaciones (siete), se agruparon en el cluster 4 y las 198 características FT, DT, CH, FH, FF y NSF fueron las que determinaron la agrupación 199 de este cluster. Las poblaciones GPMA, ARE y OSCB formaron clusters separados (cluster 5, 7 y 8), ello se debió posiblemente a que estas poblaciones mostraron 200 201 promedios diferentes entre ellas y con el resto del germopalsma evaluado en las características FT, AP, CH, FF y LF. En el cluster 6 se encuentran agrupadas las 202 poblaciones APV y PPCB, y las variables que influyeron para que así se agruparán 203 estas poblaciones fueron FT, DT, CH y FH. Datta y Das (2013) evaluaron 23 204 205 caracteres en 53 colectas de Capsicum, de su estudio reportan alta variabilidad morfológica, resultados que presentan cierta similitud con los obtenidos en nuestra 206 investigación, ya que en ambos trabajos se evaluaron los descriptores CH, FH y FF. 207 208 Pero diferente lo obtenido en nuestra investigación a la agrupación reportada por 209 Carvalho et al. (2014), quienes en su estudio encontraron que la caracterización morfológica permitió la separación de las formas silvestres y las accesiones 210 211 domesticadas de C. chinense, C. annuum y C.baccatum. 212 Resultados similares a esta investigación, pero en poblaciones de C. frutescens para diámetro de tallo (DT) y longitud de fruto (LF) con promedios de 1.51 cm y 1.50 cm, 213 214 los reportaron Carvalho et al. (2017); y Jarret et al. (2007). De su estudio, Carvalho et al. (2017), concluyeron que ambas evaluaciones (morfológica y molecular), 215

proporcionaron una visión más amplia de la variabilidad existente en las poblacionesprobadas de C. *frutescens*.

Caracterización genética.

218

219

220

221

222

223

224

225

226

227

228

229

230

231

232

233

234

235

236

237

238

Los oligonucleótidos HpmsCaSIG19, Hpms1-106, Hpms1-143 y Hpms1-274, usados en el presente estudio detectaron en promedio 2.7 alelos en cada población, resultado similar a lo reportado por Minamiyama et al. (2006); Patel et al. (2011); Dhaliwal et al (2014); y Sharmin et al. (2018). Pero menor al promedio de alelos encontrados por Nicolaï et al. (2013), quienes con 28 primer's microsatélites detectaron 6.64 alelos promedio para los cultivares de C. frutescens y .8 alelos para las variedades de C annuum evaluadas. Los primer's Hpms1-106, Hpms1-143 y Hpms1-274 que se evaluaron en nuestra investigación, también los usaron Kwon et al. (2005); Contreras-Toledo et al. (2011); Toledo-Aguilar (2016); y Stavêlíková et al. (2010), el primer's Hpms1-274, los dos primeros autores reportan un menor número de alelos, a comparación con los alelos en la presente investigación. La discrepancia en la cantidad de alelos detectados en las investigaciones indicadas no obstante que se usaron los mismos primer's, pudiera deberse a que en esta investigación se caracterizaron poblaciones silvestres y criollas, mientras que en las investigaciones de Kwon et al. (2005); Contreras-Toledo et al. (2011); y Toledo-Aguilar (2016); se evaluaron variedades mejoradas y un híbrido. Con respecto al polimorfismo observado, los cuatro primer's usados en nuestra investigación detectaron resultados similares al reportado por Ulhoa et al. (2014), aunque ellos evaluaron 63 iniciadores en líneas S4 de chile Jalapeño amarillo y sólo el 23.8% (15 iniciadores) fueron polimórficos. Del mismo modo, Dhaliwal et al. 239 (2014) de los 50 primer's evaluados en su trabajo, 27 de ellos fueron polimórficos. 240 Patel et al. (2011) indican que tres de los seis primer's SSRs que usaron en su 241 investigación identificaron polimorfismo. Huan-huan et al. (2011) reportan 60.48 % de 242 polimorfismo detectado por los primer's que se evaluaron en su investigación. Por lo 243 anterior, se puede establecer que el polimorfismo que se logre encontrar en Capsicum, dependerá en gran medida de los iniciadores y de las poblaciones con las 244 245 que se esté trabajando. Lo anterior se sustenta al comparar nuestros resultados con lo reportado por Hernández-Verdugo (2006), quien en su trabajo con poblaciones 246 247 silvestres de chile encontró poco polimorfismo (25 bandas polimórficas de 126 248 bandas totales), lo anterior porque en nuestra investigación se encontró 66 bandas 249 polimórficas de 229 bandas observadas. Islam et al. (2016) con tres marcadores TE-250 AFLP que probaron en 177 accesiones de chile criollo encontraron 61% de bandas polimórficas. El promedio de alelos por locus en las poblaciones evaluadas en 251 nuestro trabajo fue de 2.0, que es inferior al 4.03 alelos por locus reportado por 252 253 González-Pérez (2016). Los resultados del AMOVA se muestran en el Cuadro 5, obsérvese que la varianza 254 entre poblaciones fue de 13.0%, la que comparada con el 19.75% reportada por 255 256 Pacheco-Olvera (2012) en poblaciones silvestres de chile del Noroeste de México, es un valor de varianza de poblaciones bajo. Mientras que Islam et al. (2016) en 257 poblaciones criollas de la India la diversidad encontrada fue de 48.14%. 258 259 El valor de F_{ST} encontrado en esta investigación fue de 0.176, el que se debe 260 considerar como grande e interpretarse como un alto grado de diferenciación entre las poblaciones evaluadas en función de las frecuencias génicas de cada una de 261

262 ellas. Contreras-Toledo et al. (2011); Toledo-Aguilar (2016); y Hernández-Verdugo et 263 al. (2001); reportaron valores para F_{ST} de 0.108, y 0.079 y 0.036, los que se deben 264 interpretar como de moderada y baja magnitud de diferenciación de las poblaciones. 265 La discrepancia en la proporción de cada valor de F_{ST}, puede deberse a la naturaleza 266 de las poblaciones de ambos trabajos, en el nuestro fueron poblaciones de chile 267 silvestre y criollo, en tanto que en el de los investigadores citados se usaron 268 cultivares mejorados. Pacheco-Olvera (2012) reportó un valor de Fst de 0.297 para poblaciones silvestres de chile del Noreste de México, el cuál es un valor que se 269 270 debe considerar como muy grande. El valor de F_{IS} = -0.448, hace pensar que las poblaciones evaluadas poseen alto número de heterocigotos dentro de cada una de ellas, en tanto el valor del Fr = -0.193, de que hay poca diferenciación (menor 272 endogamia) en las poblaciones evaluadas, similares resultados los reportó Toledo-273 274 Aguilar (2016). El dendograma (Figura 2) de las relaciones genéticas entre las poblaciones está 275 definido por cuatro clusters. El primer cluster se formó por 10 poblaciones entre ellas 276 sobresalen CPRPV (Corazón de Pollo Ranchería Porvenir), OSCB (Ojo de Sapo 277 278 Cerro Blanco) y CPPV (Corazón de Pollo El Provenir). El segundo cluster se conformó por nueve poblaciones del tipo Amashito (A) y Pico de Paloma (PP). Las 279 poblaciones Colmillo de Lagarto (CLCR Colmillo de Lagarto Corralillo y CLPV 280 281 Colmillo de Lagarto El Provenir), formaron clusters separados de las poblaciones silvestres. González-Jara et al. (2011) en poblaciones de Chilpetín encontró que las 282 283 poblaciones silvestres se separaron de las criollas, similar a lo que ocurrió en nuestra 284 investigación. La poca similitud en el agrupamiento de las poblaciones con datos

morfológicos y moleculares es posible que se deba a que la edad de las plantas de cada población era muy diferente, lo que influyó en las variables medidas, principalmente en Altura de planta (AP), Forma del tallo (FT), Color de la hoja (CH) y diámetro del tallo (DT). Lo anterior se sustenta en lo establecido por Kwon *et al.* (2007); y Stavélíková *et al.* (2010), de que las características morfológicas al ser evaluadas detectarán solo un grado de polimorfismo y pueden ser sensibles a las condiciones ambientales. Por lo que las plantas de las poblaciones tienen limitaciones de interacción con el entorno en el que crecen.

CONCLUSIONES

La caracterización morfológica y molecular de las 21 poblaciones evaluadas en la presente investigación, mostraron cierta similitud en el agrupamiento de ellas. Esto se debió posiblemente a que fueron sólo ocho variables morfológicas las medidas *in situ*. Además de que las condiciones edáficas y elimáticas, y edad de las plantas en cada población pudo incidir para que las poblaciones evaluadas presentaran alto nivel de diferenciación morfológica.

Los cuatro marcadores moleculares detectaron polimorfismo en los alelos de las poblaciones. Un 13.0% de la variabilidad correspondió a poblaciones, y 87% a alelos dentro de individuos dentro de poblaciones. Los estadísticos de Wright (F_{ST}, F_{IS} y F_{IT}) presentaron valores de 0.176, -0.448 y -0.193.

Las poblaciones de chile evaluadas presentaron efecto moderado de apareamiento no aleatorio de los individuos de cada población, esto es debido a que muchas de las

poblaciones que se colectaron, se encontraron creciendo relativamente cerca unas

de otras, lo que puedo provocar cierto entrecruzamiento entre ellas.

309 310 REFERENCIAS 311 312 313

- Brody JR, Kern SE (2004) Sodium boric acid: a Tris-free, cooler conductive medium for DNA electrophoresis. Biotechniques 36: 214-216.
- Cadima X, Gabriel J, Veramendi S (2013) Uso de marcadores moleculares 314 microsatélite para el análisis de la diversidad genética de papa nativa de 315 Bolivia. Journal of the Selva Andina Research Society 4: 18-30. 316
- Carvalho SIC, Bianchetti LB, Ragassi CF, Ribeiro CSC, Reifschneider FJB, Buso 317 GSC, Faleiro FG (2017) Genetic variability of a Brazilian Capsicum frutescens 318 collection using morphological characteristics 319 SSR 320 markers. Genetics Molecular Research. 16: 1-18.
- Carvalho SIC, Ragassi CF, Bianchetti LB, Reifschneider, FJB, Buso GSC, Faleiro FG 321 322 (2014) Morphological and genetic relationships between wild and domesticated 323 forms of peppers (Capsicum frutescens L. and C. chinense Jacquin). Genetics Molecular Research 13: 7447-7464. 324
- Castellón-Martínez E. Chávez-Servia JL, Carrillo-Rodríguez JC, Vera-Guzmán AM 325 326 (2012) Preferencias de consumo de chiles (Capsicum annuum L.) nativos en los valles centrales de Oaxaca, México. Revista Fitotecnia Mexicana 35: 27-35. 327
- 328 Contreras-Toledo AR, López-Sánchez H, Santacruz-Varela A, Valadez-Moctezuma E, Aguilar-Rincón VH, Corona-Torres T, Antonio-López P (2011) Diversidad 329 Genética en México de variedades nativas de chile poblano mediante 330 microsatélites. Revista Fitotecnia Mexicana 34: 225-232. 331
- 332 Datta S, Das L (2013) Characterization and genetic variability analysis in Capsicum annuum L. germplasm. SAARC Journal of Agriculture 11: 91-103. 333
- 334 Dellaporta SL, Wood J, Hicks JB (1983) Una minipreparación de ADN vegetal: 335 versión II. Reportero de biología molecular de plantas1: 19-21.
- Dhaliwal MS, Yadav A, Jindal SK (2014) Molecular characterization and diversity 336 analysis in chilli pepper using simple sequence repeats (SSR) markers. African 337 338 Journal of Biotechnology 13:3137-3143.
- González I, Arias Y, Quiñones M Miranda I, Rodríguez Y, Peteira B (2011) 339 340 Variabilidad molecular de genotipos de pimiento (Capsicum annuum L.) del 341 programa de mejoramiento genético para la resistencia a Rvy. Revista de 342 Protección Vegetal 26: 69-73.
- González-Jara P, Moreno-Letelier A, Fraile A, Piñero D, García-Arenal F 343 344 (2011) Impacto del manejo humano en la variación genética del pimiento 345 silvestre, Capsicum annuum var. glabriusculum. PLoS One 6: 1-11.
- González-Pérez S, Garcés-Claver A, Mallor C, Sáenz de Miera LE, Fayos O, Pomar 346 347 Merino F, Silvar C (2014) New insights into Capsicum spp relatedness and the diversification process of Capsicum annuum in Spain. PloS one 9: 1-23. 348

- 349 Haralayya B, Asha IS (2017) Molecular Marker Application in Capsicum spp: A 350 Supplement to Conventional Plant Breeding. International Journal of Current 351 Microbiology and Applied Sciences 6: 3840-3855.
- Hernández-Verdugo S, González-Rodríguez A, Sánchez-Peña P, Casas A, Oyama K (2006) Estructura y diferenciación genética de poblaciones silvestres y domesticadas de chile del Noroeste de México analizada con isoenzimas y RAPDs. Revista Fitotecnia Mexicana 29: 25-29
- Hernández-Verdugo S, Luna-Reyes R, Oyama K (2001) Genetic structure and differentiation of wild and domesticated populations of *Capsicum annuum* (*Solanaceae*) from Mexico. Plant Systematics and evolution 226: 129-142.
- Huan-huan H, Zhang-hua Z, Zheng-hai Z, Sheng-li M. Li-hao W, Bao-xi Z (2011)
 Analysis of SSRs information in Capsicum spp. from EST Database. Agricultural
 Sciences in China 10: 1532-1536.
- IPGRI-AVRDC-CATIE (1995) Descriptores para *Capsicum* (*Capsicum* spp.). Instituto
 Internacional de Recursos Fitogenéticos, Roma, Italia; Centro Asiático para el
 Desarrollo y la Investigación Relativos a los Vegetales, Taipei, Taiwán y Centro
 Agronómico Tropical de Investigación y Enseñanza. Turrialba, Costa Rica. 48p.
- Islam MA, Sinha P, Sharma SS, Negi, MS, Neog B, Tripathi SB (2016) Analysis of genetic diversity and population structure in Capsicum landraces from North Eastern India using TE-AFLP markers. Plant molecular biology reporter 34: 869-875.
- Jarret RL, Baldwin E, Perkins B, Bushway R, Guthrie K (2007) Diversity of fruit quality characteristics in Capsicum *frutescens*. HortScience 42: 16-19.
- Johnson DE (2000) Métodos multivariados aplicados al análisis de datos. 7ª edición.
 International Thomson Editores. México. 566p
- Kwon YS, Moo JY, Yi, SI, Bae KM, Soh EH, Cho IH, Kim BD (2007) Comparative analysis of pepper (Capsicum annuum L.) varieties using morphological characters, AFLP and SSR markers. Koren Jorunal of Genetics 29: 11-20
- Kwon YS, Lee JM, Yi G B, Yi S I, Kim KM, Soh EH, Bae KM, Park EK, Song E K, Kim BD (2005) Use of SSR markers to complement tests of distinctiveness, uniformity, and stability (DUS) of pepper (*Capsicum annuum* L.) varieties. Molecules and Cells 19: 428-435.
- Latournerie L, Chávez JL, Pérez M, Castañón G, Rodríguez SA, Arias LM, Ramírez P (2002) Valoración in situ de la diversidad morfológica de chiles (*Capsicum annuum* L. y *Capsicum chinense* Jacq.) en Yaxcabá, Yucatán. Revista Fitotecnia Mexicana 25: 25-33.
- 385 MacNeish RS (1964) Ancient mesoamerican civilization. Science 143: 531-537. 386
- Martínez-Sánchez D, Pérez-Grajales M, Rodríguez-Pérez JE, Moreno-Pérez E. del C (2010) Colecta y caracterización morfológica de'chile de agua'(*Capsicum annuum* L.) en Oaxaca, México. Revista Chapingo. Serie horticultura. 16: 169-390 176.

- Massot PHK, Vasconcelos SC, Branco VJC, Valgas RA, Barbieri RL (2016a)
 Agronomic evaluation and morphological characterization of chili peppers
 (Capsicum annuum, Solanaceae) from Brazil. Australian Journal of Basic and
 Applied Sciences 10: 63-70.
- 395 Massot PHK, Barbieri RL (2016b) Plant breeding of chili peppers (*Capsicum*, 396 Solanaceae) *A review*. Australian Journal of Basic and Applied Sciences 397 10:148-154
- Minamiyama Y, Tsuro M, Hirai M (2006) An SSR-based linkage map of *Capsicum annuum*. Molecular Breeding 18: 157-169.
- 400 Nei M, Li WH (1979) Mathematical model for studying genetic variation in terms of 401 restriction endonucleases. Proceedings of the National Academy of 402 Sciences 76: 5269-5273.
- Nicolaï M, Cantet M, Lefebvre V, Sage-Palloix AM, Palloix A (2013) Genotyping a large collection of pepper (*Capsicum* spp.) with SSR loci brings new evidence for the wild origin of cultivated *C. annuum* and the structuring of genetic diversity by human selection of cultivar types. Genetic resources and crop evolution.60: 2375-2390.
- Pacheco-Olvera A, Hernández-Verdugo S, Rocha-Ramirez V, González-Rodríguez A, Oyama K (2012) Genetic diversity and structure of pepper (*Capsicum annuum* L.) from Northwestern Mexico analyzed by microsatellite markers. Crop Science 52: 231-241.
- Page RDM (1996) TREEVIEW: An application to display phylogenetic trees on personal computers. Computer Applications in Biosciences 12: 357-358.
- 414 Pardey C, Garcia M, Cabrera FAV (2006) Caracterización morfológica de cien 415 introducciones de *Capsicum* del Banco de Germoplasma de la Universidad 416 Nacional de Colombia Sede Palmira. Acta Agronómica 55: 1-10.
- Patel AS, Sasidharan N, Vala AG (2011) Research article genetic relation in Capsicum annum L. cultivars through microsatellite markers: SSR and ISSR. Electronic Journal of Plant Breeding 2: 67-76.
- Peakall R, Smouse PE (2012) GenAlEx 6.5: genetic analysis in Excel. Population genetic software for teaching and research *an update*. Bioinformatics 28: 2537-2539.
- Sambrook J, Fritsch E, Maniatis T (1989). Molecular cloning: a laboratory manual.

 2ed. Laboratory Press Cold Spring Harbor, New York. 1546 pp.
- SAS Institute (2004). SAS User's Guide: Statistics. Version 9.4. Statistical Analysis System Institute. Cary, North Carolina, USA. 1032 pp.
- Sharmin A, Hoque ME, Haque MM, Khatun F (2018) Molecular Diversity Analysis of Some Chilli (*Capsicum* spp.) Genotypes Using SSR Markers. American Journal of Plant Sciences 9: 368-379.
- stavêlíková hp, hanáček t, vyhnánek (2010) the morphological description and dna tools analysis: for detection of duplicitions in the czech germplasm collection of

- pepper (capsicum annuum I.). Acta Universitatis Agriculturae et Silviculturae 432 433 Mendelianae Brunensis Sborník Mendelovy Univerzity v Brně LVIII: 191–198.
- Sudré CP. Gonçalves LSA, Rodrigues R, Amaral-Júnior AD, Riva-Souza EM, Bento 434 435 CDS (2010) Genetic variability in domesticated Capsicum spp as assessed by 436 morphological and agronomic data in mixed statistical analysis. Genetics and 437 Molecular Research 9: 283-294
- 438 Tan S, Cheng JW, Zang L, Qin C, Nong, DG, Li WP, Tang X, Wu ZM, Hu KL (2015) Construction of an Interspecific Genetic Map Based on InDel and SSR for 439 440 Mapping the QTLs Affecting the Initiation of Flower Primordia in Pepper 441 (Capsicum spp.). PLoS ONE 10: 1-15
- Thul ST, Darokar MP, Shasany AK, Khanuja SP (2012) Molecular profiling for genetic 442 443 variability in Capsicum species based on ISSR and RAPD markers. Molecular 444 Biotechnology 51: 137-147.
- 445 Toledo-Aguilar R, López-Sánchez H, Santacruz-Varela A, Valadez-Moctezuma E, 446 Antonio-López P. Aquilar Rincón VH, González-Hernández VA, Vaquera-Huerta 447 H (2016) Characterization of genetic diversity of native Ancho'chili populations of microsatellite markers. Chilean 448 Mexico usina Journal of Agricultural 449 Research 76: 18-26.
- Ulhoa, AB, Pereira TN, Silva RN, Ragassi CF, Rodrigues R, Pereira MG, 450 Reifschneider FJ (2014) Caracterização molecular de linhagens de pimenta do 451 tipo Jalapeño amarelo. Horticultura Brasileira 32: 35-40. 452
- Zhang XM, Zhang ZH, Gu XZ, Mao SL, Li X X, Chadœuf J, Palloix A, Li-hao W, & 453 Zhang BX (2016) Genetic diversity of pepper (Capsicum spp.) germplasm 454 resources in China reflects selection for cultivar types and spatial 455 991. distribution. Journal ofIntegrative Agricultura 15: 1991-2001. 456

Cuadro 1. Descriptores cualitativos y cuantitativos usados en la caracterización morfológica de las poblaciones de Capsicum spp. Colectadas en los estados de Tabasco y Chiapas, México.

Variable	Acrónimo	Escala de medición
orma del tallo	FT	1=Cilindríco, 2=Angular, 3=Aplanado
Altura de planta	AP	1= <25, 2= 25-45, 3= 46-65, 4= 66-85 y >85 medido en centrímetros
Diámetro del tallo	DT	Medido en centímetros
Color de la hoja	CH	1=Amarillo, 2=Verde claro, 3=Verde, 4=Verde obscuro, 5=Ligeramente purpura, 6=Purpura, 7=Variegado, 8=Otro
orma de la hoja	FH	1=Triangular, 2=Ovalada, 3=Lanceolada
Forma del Fruto	FF	1=Elongado, 2=Casi redondo, 3=Triangular, 4=Campanulado, 5=Bloque, 6=Otro
ongitud del Fruto	LF	Medido en centímetros
lúmero de semillas po ruto	r NSF	Promedio de semillas de 10 frutos seleccionados en las plantas de cada población

Nombre local	Lugar de colecta	Acrónimo	Especie
Amashito	Vicente Guerrero, Teapa, Tabasco	AVG	C.annuum var.glabrisculum
Amashito	Ejido Cerro Blanco, Tacotalpa, Tabasco	ACB	C.annuum var.glabrisculum
Pico de Paloma	Ejido Cerro Blanco, Tacotalpa, Tabasco	PPCB	C. frutescens
Ojo de Sapo	Ejido Cerro Blanco, Tacotalpa, Tabasco	OSCB	C. annuum
Amashito Redondo	Miahuatlán, Cárdenas, Tabasco	ARMI	C.annuum var. glabrisculum
Amashito	Miahuatlán, Cárdenas, Tabasco	× AMI	C.annuum var. glabrisculum
Pico de Paloma	Miahuatlán, Cárdenas, Tabasco	PPMI	C. frutescens
Amashito Blanco	Miahuatlán, Cárdenas, Tabasco	ABMI	C.annuum var. glabrisculum
Amashito	El Macayo, Reforma, Chiapas	AMA	C.annuumvar. glabrisculum
Garbanzo-Pico de Paloma	El Macayo, Reforma, Chiapas	GPMA	C. annuum - C. frutescens
Amashito Gordo	El Macayo, Reforma, Chiapas	AGMA	C.annuum var. glabrisculum
Pico de Paloma	El Macayo, Reforma, Chiapas	PPMA	C. frutescens
Amashito	Reforma, Chiapas	ARE	C.annuum var. glabrisculum
Pico de Paloma	Ejido Corralillo, Macuspana,	PPBCR	C. frutescens
Blanco	Tabasco		9)
Pico de Paloma	Ejido Corralillo, Macuspana,	PPCR	C. frutescens

	Tabasco		
Colmillo de	Ejido Corralillo, Macuspana,	CLCR	Cannum
Lagarto	Tabasco		C. annuum
Amashito	El Porvenir, Macuspana, Tabasco	APV	C.annuum var. glabrisculum
Corazón de Pollo	Ranchería El Porvenir, Macuspana, Tabasco	CPRPV	C. annuum
Colmillo de Lagarto	El Porvenir, Macuspana, Tabasco	CLPV	C. annuum
Corazón de Pollo	El Porvenir, Macuspana, Tabasco	CPPV	C. annuum
Pico de Paloma	El Porvenir, Macuspana, Tabasco	PPPV	C. frutescens

Cuadro 3. Descripción de los cuatro loci usados, motivo que se repite, iniciador y tamaño de cada primer usados para caracterización molecular de poblaciones de Capsicum spp. De los estados de Tabasco y Chiapas, México.

Locus Unidad repetitiva Iniciadores Tamaño (Pb) HpmsCaSiG19 (CT)6 (AT)8 (GTAT)5 D-HEXcatgaatttcgtcttgaaggtccc (AT)8 (GTAT)5 216-223 Hpms1-106 (AAAAAT) (AAAAT) (AAAAAT) (AAAAAAT) (AAAAAT) (LocusrepetitivaIniciadoresTamaño (Pb)HpmsCaSIG19(CT)6 (AT)8 (GTAT)5D-HEXcatgaatttcgtcttgaaggtccc216-223Hpms1-106(AAAAAT) 4D-HEXtccaaactacaagcctgcctaacc R-ttttgcattattgagtcccacagc158-164Hpms1-143(AG)12D-220-232				
HpmsCaSIG19 (CT)6 (AT)8 (GTAT)5 R-aagggtgtatcgtacgcagcctta Hpms1-106 (AAAAAT) D-HEXtccaaactacaagcctgcctaacc R-tittgcattattgagtcccacagc Hpms1-143 (AG)12 D-6FAMaatgctgagctggcaaggaaa 9 R-tgaaggcagtaggtggggagtg Hpms1-274 (GTT)7 D-HEX-tcccagaccctcgtgatag 162-180 R-tcctgctccttccacaactg	HpmsCaSIG19 (CT)6 D-HEXcatgaatttcgtcttgaaggtccc 216-223 R-aagggtgtatcgtacgcagcctta Hpms1-106 (AAAAAT) D-HEXtccaaactacaagcctgcctaacc 158-164 R-ttttgcattattgagtcccacagc Hpms1-143 (AG)12 D- 220-232	Locus		Iniciadores	Tamaño (Pb)
(AT)8 (GTAT)5 R-aagggtgtatcgtacgcagcctta Hpms1-106 (AAAAAT) D-HEXtccaaactacaagcctgcctaacc 158-164 4 R-ttttgcattattgagtcccacagc Hpms1-143 (AG)12 D- 220-232 6FAMaatgctgagctggcaaggaaa 9 R-tgaaggcagtaggtggggagtg Hpms1-274 (GTT)7 D-HEX-tcccagacccctcgtgatag 162-180 R-tcctgctccttccacaactg D= Delante, R= Reversa	(AT)8 (GTAT)5 R-aagggtgtatcgtacgcagcctta Hpms1-106 (AAAAAT) D-HEXtccaaactacaagcctgcctaacc 158-164 R-ttttgcattattgagtcccacagc Hpms1-143 (AG)12 D- 220-232	HpmsCaSIG19	•	D-HEXcatgaatttcgtcttgaaggtccc	216-223
Hpms1-143 (AG)12 D- 220-232 6FAMaatgctgagctggcaaggaaa 9 R-tgaaggcagtaggtggggagtg Hpms1-274 (GTT)7 D-HEX-tcccagacccctcgtgatag 162-180 R-tcctgctccttccacaactg D= Delante, R= Reversa	R-ttttgcattattgagtcccacagc Hpms1-143 (AG)12 D- 220-232		(AT)8	R-aagggtgtatcgtacgcagcctta	
Hpms1-143 (AG)12 D- 6FAMaatgctgagctggcaaggaaa g R-tgaaggcagtaggtggggagtg Hpms1-274 (GTT)7 D-HEX-tcccagacccctcgtgatag R-tcctgotccttccacaactg D= Delante, R= Reversa	Hpms1-143 (AG)12 D- 220-232	Hpms1-106	(AAAAAT)	D-HEXtccaaactacaagcctgcctaac	c 158-164
6FAMaatgctgagctggcaaggaaa g R-tgaaggcagtaggtggggagtg Hpms1-274 (GTT)7 D-HEX-tcccagacccctcgtgatag 162-180 R-tcctgctccttccacaactg D= Delante, R= Reversa			4	R-ttttgcattattgagtcccacagc	
Hpms1-274 (GTT)7 D-HEX-tcccagacccctcgtgatag 162-180 R-tcctgctccttccacaactg D= Delante, R= Reversa	9,	Hpms1-143	(AG)12	_	220-232
R-tcctgctccttccacaactg D= Delante, R= Reversa	R-tgaaggcagtaggtggggagtg		V	R-tgaaggcagtaggtggggagtg	
D= Delante, R= Reversa	Hpms1-274 (GTT)7 D-HEX-tcccagacccctcgtgatag 162-180	Hpms1-274	(GTT)7	D-HEX-tcccagacccctcgtgatag	162-180
	R-tcctgctccttccacaactg		-	R-tcctgctccttccacaactg	
	Co Monda de Adbase				

Cuadro 4. Promedios de las características medias en las poblaciones de Capsicum spp. Colectadas en los estados de Tabasco y Chiapas, México.

			Car	acterística	s medidas	6		
Acrónimo	FT	AP	DT	СН	FH	FF	LF	NSF
AVG	1	108.00	1.36	4	2	3	0.84	10.62
ARMI	1	87.00	1.80	2	3	3	0.78	8.04
AMI	1	89.33	2.03	3	2	3	0.77	8.20
PPMI	1	116.67	1.82	2	2	3	1.62	14.91
ABMI	1	135.0	1.60	1	3	3	1.69	13.0
ACB	1	56.7	1.53	3	2	3	2.84	9.07
PPCB	1	51.67	1.03	3	3	1	1.17	13.67
OSCB	1	160.00	2.67	3	2	2	2.07	27.53
AMA	1	107.50	2.60	3	2	2	0.46	10.30
GPMA	2	131.67	3.00	2	2	3	1.21	26.73
AGMA	2	107.50	2.38	4	3	2	0.92	9.85
PPMA	2	111.88	2.28	3	2	2	1.46	17.63
ARE	1	122.50	1.10	4	3	3	0.77	10.20
PPBCR	2	105.00	1.30	2	1	3	2.05	13.07
PPCR	2	102.86	1.27	2	2	3	2.02	15.46
CLCR	1	100.00	1.20	3	2	3	3.30	15.20
APV	1	45.00	1.10	4	3	2	0.63	24.60
CPRPV	1	128.67	1.97	3	3	5	1.04	27.73
CLPV	2	110.00	1.48	3	3	3	3.23	15.70
CPPV	2	74.17	0.72	3	2	5	1.05	29.67
PPPV	2	80.33	1.40	3	2	3	1.53	20.73

A= Amashito, AR= Amashito Redondo, PP= Pico de Paloma, AB= Amashito Bola, OS= Ojo de Sapo, GP= Garbanzo-Pico de paloma, AG= Amashito Gordo, PPB= Pico

a Bla, o, MI= N, MIG, PV= EI P de Paloma Blanco, CL= Colmillo de Lagarto, CP= Corazon de Pollo. VG= Vicente 489 490 Guerrero, MI= Miahuatlán, CB= Cerro Blanco, MA= Macayo, RE= Reforma, CR= 491 Corralillo, PV= El Porvenir, RPV= Rancheria El Porvenir. 492 493

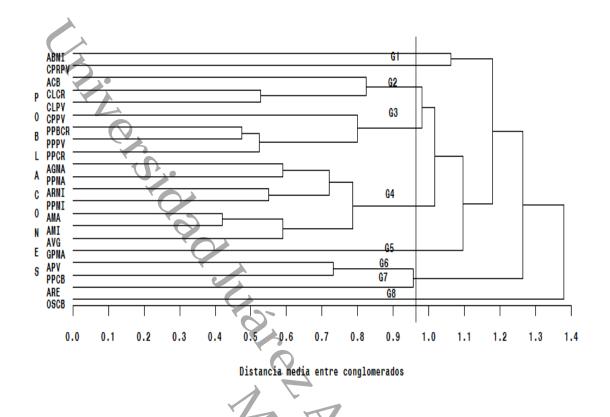
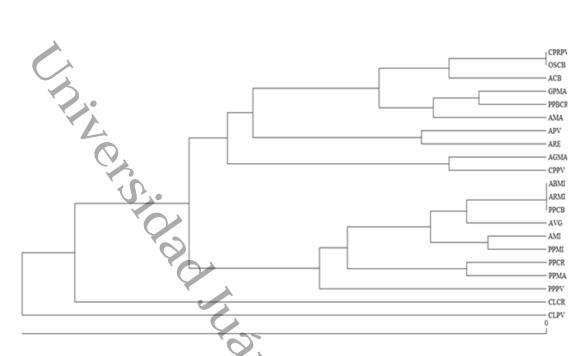


Figura 1. Dendograma de 21 poblaciones silvestres y criollas de Capsicum annum L. y Capsicum frutescens L., de los estados de Tabasco y Chiapas, México.

Cuadro 5. Análisis Molecular de Varianza de las poblaciones de C. annuum y C.
 frutescens colectadas en los estados de Tabasco y Chiapas, y evaluadas con cuatro
 marcadores moleculares SSRs.

FV	GI	SC	CM	VarEst	%VarEst
Poblaciones	20	29.540	1.477	0.172	13%
Individuos/Poblaciones	42	18.667	0.444	0.000	0%
Alelos/Individuos/Poblaciones	63	73.500	1.167	1.167	87%
Total	125	121.706		1.339	100%

FV =Fuente de variación, GI= Grados de libertad, SC=Suma de cuadrados, st=
Fis=-0. CM=Cuadrados medios, VarEst= Varianza estimada, %Var.Est= Porciento de varianza estimada, F_{ST}=0.176*, F_{IS}= -0.448 NS, F_{IT}= -0.193 NS.



iación genétic sicum frutescens Figura 2. Dendograma de la relación genética de 21 poblaciones silvestres y criollas 532 de Capsicum annum L. y Capsicum frutescens de los estados de Tabasco y Chiapas, 533 534 México.